

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo p130**Nº de Catálogo: APRab15570**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	RBL2
Nombres Alternativos	RBL2; RB2; Retinoblastoma-like protein 2; 130 kDa retinoblastoma-associated protein; p130; Retinoblastoma-related protein 2; RBR-2; pRb2
ID del Gen	5934.0
ID SwissProt	Q08999
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del RBL2 humano. Rango de AA: 918-967.

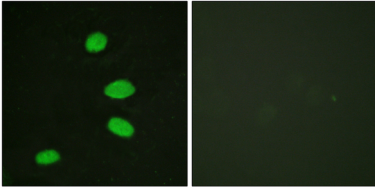
Antecedentes

Función: Regulador clave de la entrada en la división celular. Participa directamente en la formación de la heterocromatina, manteniendo la estructura general de la cromatina y, en particular, la de la heterocromatina constitutiva mediante la estabilización de la metilación de histonas. Recluta y actúa como diana de las histonas metiltransferasas SUV420H1 y SUV420H2, lo que provoca la represión transcripcional epigenética. Controla la trimetilación de la histona H4 "Lys-20". Probablemente actúa como represor de la transcripción, reclutando enzimas modificadoras de la cromatina a los promotores. Potente inhibidor de la transactivación mediada por E2F; se asocia preferentemente con E2F5. Se une a las ciclinas A y E. Se une a la proteína E1A del adenovirus y podría estar implicada en su capacidad transformante. Puede actuar como supresor tumoral., misceláneo: Expresión restringida a G0., PTM: Durante la fase G0 y G1 temprana del ciclo celular, se fosforila en Ser-639 y en 5 sitios dentro del dominio B. La fosforilación en Ser-672 en G1 conduce a su proteólisis dependiente de ubiquitina., similitud: Pertenece a la familia de proteínas del retinoblastoma (RB)., subunidad: Interactúa con AATF. Interactúa con SUV420H1 y SUV420H2 (por similitud). Componente del complejo DREAM (también llamado complejo LINC) compuesto al menos por E2F4, E2F5, LIN9, LIN37, LIN52, LIN54, MYBL1, MYBL2, RBL1, RBL2, RBBP4, TFDP1 y TFDP2. El complejo existe en células quiescentes donde reprime genes dependientes del ciclo celular. Se disocia en la fase S cuando LIN9, LIN37, LIN52 y LIN54 forman un subcomplejo que se une a MYBL2. Interactúa con RINT1. Función: Regulador clave de la entrada en la división celular. Directamente involucrado en la formación de heterocromatina al mantener la estructura general de la cromatina y, en particular, la de la heterocromatina constitutiva al estabilizar la metilación de histonas. Recluta y se dirige a las metiltransferasas de histonas SUV420H1 y SUV420H2, lo que lleva a la represión transcripcional epigenética. Controla la trimetilación de la histona H4 'Lys-20'. Probablemente actúa como un represor de la transcripción al reclutar enzimas modificadoras de la cromatina a los promotores. Potente inhibidor de la transactivación mediada por E2F, se asocia preferentemente con E2F5. Se une a las ciclinas A y E. Se une a la capacidad transformante de la proteína E1A del adenovirus y podría estar involucrado en ella. Puede actuar como supresor tumoral., misceláneo: Expresión restringida a G0., PTM: Durante la fase G0 y G1 temprana del ciclo celular, se fosforila en Ser-639 y en 5 sitios dentro del dominio B. La fosforilación en Ser-672 en G1 conduce a su proteólisis dependiente de ubiquitina., similitud: Pertenece a la familia de proteínas del retinoblastoma (RB)., subunidad: Interactúa con AATF. Interactúa con SUV420H1 y SUV420H2 (por similitud). Componente del complejo DREAM (también llamado complejo LINC) compuesto al menos por E2F4, E2F5, LIN9, LIN37, LIN52, LIN54, MYBL1, MYBL2, RBL1, RBL2, RBBP4, TFDP1 y TFDP2. El complejo existe en células quiescentes donde reprime genes dependientes del ciclo celular. Se disocia en la fase S cuando LIN9, LIN37, LIN52 y LIN54 forman un subcomplejo que se une a MYBL2. Interactúa con RINT1.

Área de Investigación

Regulación de la dinámica de la actina; Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN; PI3K/Akt; Acetilación de proteínas

Datos de Imagen



Análisis de inmunofluorescencia de células HeLa con el anticuerpo RBL2. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.