

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo NDR2**Nº de Catálogo: APRab14474**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	54kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	STK38L
Nombres Alternativos	STK38L; KIAA0965; NDR2; Serine/threonine-protein kinase 38-like; NDR2 protein kinase; Nuclear Dbf2-related kinase 2
ID del Gen	23012.0
ID SwissProt	Q9Y2H1
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de NDR2. en el rango AA: 380-460

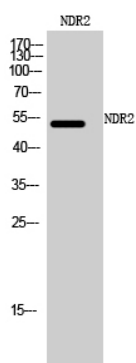
Antecedentes

Actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína. Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: Se activa mediante la unión de S100B, lo que libera interacciones autoinhibitorias con el lóbulo N, lo que permite la unión del ATP y la autofosforilación de Ser-282. Thr-442 sufre posteriormente una fosforilación dependiente de calcio por una quinasa anterior. Las interacciones entre la Thr-442 fosforilada y el lóbulo N promueven cambios estructurales adicionales que completan la activación de la quinasa. La autoinhibición también se libera mediante la unión de MOB1/MOBKL1A y MOB2/HCCA2 al extremo N-terminal de STK38L. Función: Participa en la regulación de procesos estructurales en células neuronales maduras y en diferenciación. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteína quinasas. Familia de proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de la AGC-quinasa. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Asociada al citoesqueleto de actina. Subunidad: La homodímera S100B se une a dos moléculas de STK38L (por similitud). Interactúa con MOB1 y MOB2. Especificidad tisular: Se expresa de forma ubicua, con los niveles más altos observados en el timo. Actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína. Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: Se activa mediante la unión de S100B, que libera interacciones autoinhibitorias con el lóbulo N, lo que permite la unión del ATP y la autofosforilación de Ser-282. Thr-442 sufre posteriormente una fosforilación dependiente de calcio por una quinasa anterior. Las interacciones entre la Thr-442 fosforilada y el lóbulo N promueven cambios estructurales adicionales que completan la activación de la quinasa. La autoinhibición también se libera mediante la unión de MOB1/MOBKL1A y MOB2/HCCA2 al extremo N-terminal de STK38L. Función: Participa en la regulación de procesos estructurales en células neuronales maduras y en diferenciación. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas, familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de la AGC-quinasa. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Asociada al citoesqueleto de actina. Subunidad: La S100B homodímera se une a dos moléculas de STK38L (por similitud). Interactúa con MOB1 y MOB2. Especificidad tisular: se expresa de forma ubicua y los niveles más altos se observan en el timo.

Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis Western Blot de células de ratón utilizando el anticuerpo policlonal NDR2