

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MYCD**Nº de Catálogo: APRab14266**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS conteniendo 50% de glicerol, y 0,02% de conservante nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	103kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MYOCD MYCD
Nombres Alternativos	-
ID del Gen	93649.0
ID SwissProt	Q8IZQ8
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de proteína humana. en rango AA: 200-280

Antecedentes

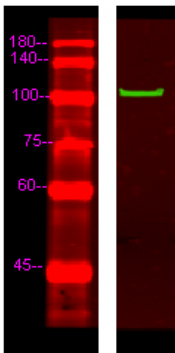
Este gen codifica una proteína nuclear expresada en el corazón, la aorta y los tejidos que contienen células musculares lisas. Actúa como coactivador transcripcional del factor de respuesta sérica (SRF) y modula la expresión de genes diana del SRF

específicos del corazón y del músculo liso, por lo que podría desempeñar un papel crucial en la cardiogénesis y la diferenciación del linaje celular muscular liso. Se han encontrado variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican diferentes isoformas para este gen. [Proporcionado por RefSeq, septiembre de 2009] Dominio: La región C-terminal contiene un dominio general de activación de la transcripción. La región N-terminal, compuesta por un dominio básico y uno rico en Gln, confiere potencia y especificidad transcripcionales al mediar la asociación con la secuencia MADS del SRF. El dominio básico puede ser necesario para la localización nuclear. El dominio SAP es importante para la transactivación y la formación de complejos ternarios. Función: Factor transcripcional que utiliza la secuencia de ADN canónica de una o varias secuencias CArG. Se une a las cajas CArG solo en presencia del factor de respuesta sérica (SRF). Actúa como cofactor del SRF y modula sus genes diana. Regula la expresión de un conjunto de genes específicos del músculo liso y cardíaco. Desempeña un papel crucial en la cardiogénesis y la diferenciación del linaje celular del músculo liso. Similitud: Contiene un dominio SAP. Similitud: Contiene tres repeticiones RPEL. Subunidad: Homodímero. Interactúa con el SRF; su asociación no depende de secuencias de ADN específicas para la formación de complejos ternarios (por similitud). Interactúa con MLLT7/FOXO4. Especificidad tisular: Se expresa en corazón, aorta y en tejidos que contienen células musculares lisas: estómago, vejiga, intestino delgado, colon, pulmón, placenta y útero. Expresión muy débil en próstata y músculo esquelético.

Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis Western Blot de la lisis de HeLa, utilizando el anticuerpo primario a una dilución de 1:1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:10000.