

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MT-ATP8**Nº de Catálogo: APRab14201**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MT-ATP8
Nombres Alternativos	ATP synthase protein 8 (A6L;F-ATPase subunit 8)
ID del Gen	4509.0
ID SwissProt	P03928
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de MT-ATP8 humano Rango AA: 30-110

Antecedentes

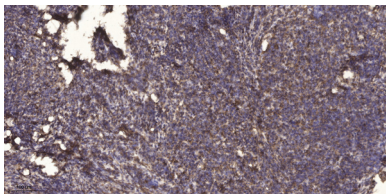
La ATP sintasa de membrana mitocondrial (F(1)F(0) ATP sintasa o Complejo V) produce ATP a partir de ADP en presencia de un

gradiente de protones a través de la membrana, generado por complejos de transporte de electrones de la cadena respiratoria. Las ATPasas de tipo F constan de dos dominios estructurales: F(1), que contiene el núcleo catalítico extramembranoso, y F(0), que contiene el canal de protones de membrana, unidos por un tallo central y uno periférico. Durante la catálisis, la síntesis de ATP en el dominio catalítico de F(1) está acoplada a la translocación de protones mediante un mecanismo rotatorio de las subunidades del tallo central. Componente clave del canal de protones; puede desempeñar un papel directo en la translocación de protones a través de la membrana. Función: La ATP sintasa de membrana mitocondrial (F(1)F(0) ATP sintasa o Complejo V) produce ATP a partir de ADP en presencia de un gradiente de protones a través de la membrana, generado por complejos de transporte de electrones de la cadena respiratoria. Las ATPasas de tipo F constan de dos dominios estructurales: F(1), que contiene el núcleo catalítico extramembranoso, y F(0), que contiene el canal de protones de membrana, unidos por un tallo central y uno periférico. Durante la catálisis, la síntesis de ATP en el dominio catalítico de F(1) se acopla mediante un mecanismo rotatorio de las subunidades del tallo central a la translocación de protones. Forma parte del complejo dominio F(0). Subunidad menor ubicada junto con la subunidad a en la membrana. Función: Las subunidades I, II y III forman el núcleo funcional del complejo enzimático. Similitud: Pertenece a la familia de la cadena A de la ATPasa. Similitud: Pertenece a la familia de la proteína ATPasa 8. Similitud: Pertenece a la familia de la subunidad 3 de la citocromo c oxidasa. Subunidad: Las ATPasas de tipo F tienen dos componentes: CF(1) (el núcleo catalítico) y CF(0) (el canal de protones de membrana). La CF(1) tiene cinco subunidades: alfa(3), beta(3), gamma(1), delta(1) y épsilon(1). La CF(0) tiene tres subunidades principales: a, b y c. Enfermedad: Los defectos en MT-ATP6 son causa de necrosis estriatal bilateral infantil [MIM:500003]. La necrosis estriatal bilateral es un trastorno neurológico similar al síndrome de Leigh. Enfermedad: Los defectos en MT-ATP6 son causa de neuropatía óptica hereditaria de Leber (LHON) [MIM:535000]. LHON es una enfermedad de herencia materna que provoca pérdida aguda o subaguda de la visión central, debido a una disfunción del nervio óptico. También se han descrito defectos de la conducción cardíaca y defectos neurológicos en algunos pacientes. LHON resulta de mutaciones primarias del ADN mitocondrial que afectan a los complejos de la cadena respiratoria. Enfermedad: Los defectos en MT-ATP6 son causa del síndrome de Leigh (LS) [MIM:256000].

Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de carcinoma cervical humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4° durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).