

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MRCKG****Nº de Catálogo: APRab14080**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS conteniendo 50% de glicerol, y 0,02% de conservante nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	170kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	CDC42BPG DMPK2
<b>Nombres Alternativos</b>	-
<b>ID del Gen</b>	55561.0
<b>ID SwissProt</b>	Q6DT37
<b>Inmunógeno</b>	Péptido sintetizado derivado de proteína humana. en el rango de AA: 1370-1450

**Antecedentes**

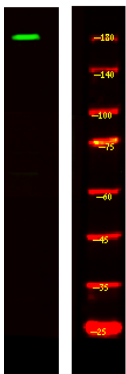
Actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína. Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: Se mantiene en una conformación cerrada e inactiva mediante la interacción entre el dominio quinasa y la región superenrollada C-terminal,

autorreguladora negativa. La unión del agonista al sitio de unión del éster de forbol interrumpe esta interacción, liberando el dominio quinasa para permitir la dimerización mediada por el extremo aminoterminal y la activación de la quinasa por transautofosforilación. Función: Puede actuar como efector dependiente de CDC42 en la reorganización del citoesqueleto. Contribuye a la contractilidad de la actomiosina necesaria para la invasión celular, mediante la regulación de MYPT1 y, por consiguiente, de la fosforilación de MLC2. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Subfamilia DMPK. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de AGC-quinasa. Similitud: Contiene un dominio CNH. Similitud: Contiene un dominio CRIB. Similitud: Contiene un dominio PH. Similitud: Contiene un dedo de zinc de tipo éster de forbol/DAG. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Se concentra en el borde anterior de las células. Subunidad: Homodímero y homotetrámero a través de las regiones de hélice superenrollada. Interactúa estrechamente con CDC42, unida a GTP, pero no a GDP. Especificidad tisular: Se expresa en corazón y músculo esquelético. Actividad catalítica:  $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$ . Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: Se mantiene en una conformación cerrada e inactiva mediante la interacción entre el dominio quinasa y la región C-terminal de hélice superenrollada autorreguladora negativa. La unión del agonista al sitio de unión del éster de forbol interrumpe este proceso, liberando el dominio quinasa para permitir la dimerización mediada por el extremo N-terminal y la activación de la quinasa mediante transautofosforilación. Función: Puede actuar como efector dependiente de CDC42 en la reorganización del citoesqueleto. Contribuye a la contractilidad de la actomiosina necesaria para la invasión celular, mediante la regulación de MYPT1 y, por consiguiente, la fosforilación de MLC2. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Subfamilia DMPK. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de AGC-quinasa. Similitud: Contiene un dominio CNH. Similitud: Contiene un dominio CRIB. Similitud: Contiene un dominio PH. Similitud: Contiene un dedo de zinc de tipo éster de forbol/DAG. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Se concentra en el borde anterior de las células. Subunidad: Homodímero y homotetrámero a través de las regiones de hélice enrollada. Interactúa estrechamente con CDC42 unido a GTP, pero no unido a GDP. Especificidad tisular: Se expresa en el músculo cardíaco y esquelético.

## Área de Investigación

-

## Datos de Imagen



Análisis Western Blot de la lisis de HEK293, utilizando el anticuerpo primario a una dilución de 1:1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:10000.

