

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MMP-8****Nº de Catálogo: APRab13998**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	55kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	MMP8
<b>Nombres Alternativos</b>	MMP8; CLG1; Neutrophil collagenase; Matrix metalloproteinase-8; MMP-8; PMNL collagenase; PMNL-CL
<b>ID del Gen</b>	4317.0
<b>ID SwissProt</b>	P22894
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la MMP-8 humana. Rango de AA: 418-467.

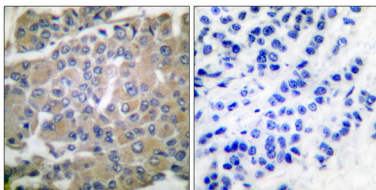
## Antecedentes

Metalopeptidasa de matriz 8 (MMP8) Homo sapiens Este gen codifica un miembro de la familia de proteínas de las metaloproteinasas de matriz (MMP). Estas proteínas participan en la degradación de la matriz extracelular durante el desarrollo embrionario, la reproducción y la remodelación tisular, así como en procesos patológicos como la artritis y la metástasis. La proteólisis en diferentes sitios de esta proteína da como resultado múltiples formas activas de la enzima con extremos N-terminales distintos. Esta proteína participa en la degradación de los colágenos de tipo I, II y III. El gen forma parte de un grupo de genes MMP que se localizan en el cromosoma 11q22.3. El empalme alternativo da como resultado múltiples variantes de transcripción. [proporcionado por RefSeq, enero de 2015], actividad catalítica: escisión de colágenos intersticiales en el dominio de triple hélice. A diferencia de la EC 3.4.24.7, esta enzima escinde el colágeno tipo III más lentamente que el tipo I. Cofactor: Se une a 2 iones de zinc por subunidad. Cofactor: Se une a 3 iones de calcio por subunidad. Dominio: La cisteína conservada presente en el motivo de cambio de cisteína se une al ion de zinc catalítico, inhibiendo así la enzima. La disociación de la cisteína del ion de zinc tras la liberación del péptido de activación activa la enzima. Regulación enzimática: No se puede activar sin la eliminación del péptido de activación. Función: Puede degradar colágenos fibrilares de tipo I, II y III. Similitud: Pertenece a la familia de las peptidasas M10A. Similitud: Contiene 4 dominios similares a la hemopexina. Ubicación subcelular: Se almacena en gránulos intracelulares. Especificidad tisular: Neutrófilos.

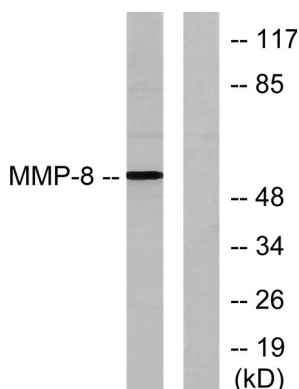
## Área de Investigación

Angiogénesis

## Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo MMP-8. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células NIH/3T3, utilizando el anticuerpo MMP-8. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.

Análisis Western Blot de células 3T3 utilizando el anticuerpo policlonal MMP-8

