

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MLK1/2**Nº de Catálogo:** APRab13952

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MAP3K9/MAP3K10
Nombres Alternativos	MAP3K9; MLK1; PRKE1; Mitogen-activated protein kinase kinase kinase 9; Mixed lineage kinase 1; MAP3K10; MLK2; MST; Mitogen-activated protein kinase kinase kinase 10; Mixed lineage kinase 2; Protein kinase MST
ID del Gen	4293/4294
ID SwissProt	P80192/Q02779
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de MLK1/2 humano. Rango de AA: 281-330.

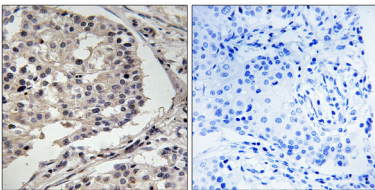
Antecedentes

Actividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$. Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: La homodimerización a través de los dominios de cremallera de leucina es necesaria para la autofosforilación y la posterior activación. Función: Activa la vía N-terminal de JUN. PTM: La autofosforilación en residuos de serina y treonina dentro del bucle de activación desempeña un papel en la activación enzimática. Es probable que Thr-312 sea el principal sitio de autofosforilación. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas STE Ser/Thr. Subfamilia de las quinasas MAP. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Similitud: Contiene un dominio SH3. Subunidad: Homodímero. Especificidad tisular: Se expresa en líneas celulares de tumores epiteliales de origen colónico, mamario y esofágico. Actividad catalítica: $ATP + \text{una proteína} = ADP + \text{una fosfoproteína}$. Cofactor: Magnesio. Regulación enzimática: La homodimerización a través de los dominios de cremallera de leucina es necesaria para la autofosforilación y la posterior activación. Función: Activa la vía N-terminal de JUN. PTM: La autofosforilación en residuos de serina y treonina dentro del bucle de activación desempeña un papel en la activación enzimática. Es probable que Thr-312 sea el principal sitio de autofosforilación. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las quinasas. Familia de las quinasas STE Ser/Thr. Subfamilia de las quinasas MAP quinasas, similitud: Contiene 1 dominio de proteína quinasa, similitud: Contiene 1 dominio SH3, subunidad: Homodímero, especificidad tisular: Se expresa en líneas de células tumorales epiteliales de origen colónico, mamario y esofágico.

Área de Investigación

Regulación de la dinámica de la actina; SAPK_JNK; Vía de células madre; Antígeno de células B

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo MLK1/2. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.