

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MLH3****Nº de Catálogo: APRab13948**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Peso Molecular</b>	164kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	MLH3
<b>Nombres Alternativos</b>	MLH3; DNA mismatch repair protein Mlh3; MutL protein homolog 3
<b>ID del Gen</b>	27030.0
<b>ID SwissProt</b>	Q9UHC1
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del MLH3 humano. Rango de AA: 521-570.

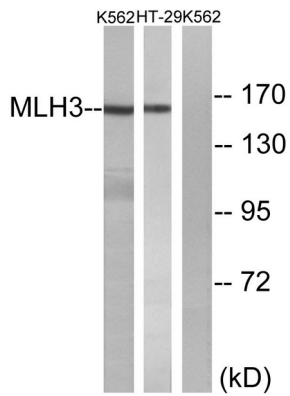
**Antecedentes**

Este gen pertenece a la familia de genes homólogos de MutL (MLH) que reparan los desajustes del ADN (MMR). Los genes MLH participan en el mantenimiento de la integridad genómica durante la replicación del ADN y tras la recombinación meiótica. La proteína codificada por este gen funciona como un heterodímero con otros miembros de la familia. Las mutaciones somáticas en este gen se presentan con frecuencia en tumores con inestabilidad de microsatélites, y las mutaciones de la línea germinal se han vinculado al cáncer colorrectal hereditario no asociado a poliposis tipo 7 (HNPCC7). Se han identificado varias variantes de transcripción con empalme alternativo, pero solo se ha determinado la longitud completa de dos de ellas. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], enfermedad: Los defectos en MLH3 son causa de cáncer colorrectal somático (CCR) [MIM:114500], enfermedad: Los defectos en MLH3 son causa de cáncer colorrectal hereditario no asociado a poliposis tipo 7 (HNPCC7) [MIM:604395]. Las mutaciones en más de un locus génico pueden estar implicadas, solas o en combinación, en la producción del fenotipo HNPCC (también llamado síndrome de Lynch). La mayoría de las familias con HNPCC clínicamente reconocido presentan mutaciones en los genes MLH1 o MSH2. El HNPCC es una enfermedad autosómica de herencia dominante asociada con un marcado aumento de la susceptibilidad al cáncer. Se caracteriza por una predisposición familiar al carcinoma colorrectal (CCR) de aparición temprana y a cánceres extracolónicos de los tractos gastrointestinal, urológico y reproductor femenino. Se informa que el HNPCC es la forma más común de cáncer colorrectal hereditario en el mundo occidental y representa el 15% de todos los cánceres de colon. Los cánceres en el HNPCC se originan dentro de pólipos neoplásicos benignos denominados adenomas. Clínicamente, el HNPCC a menudo se divide en dos subgrupos. Tipo I: predisposición hereditaria al cáncer colorrectal, una edad temprana de inicio y carcinoma observado en el colon proximal. Tipo II: los pacientes tienen un mayor riesgo de cánceres en ciertos tejidos como el útero, el ovario, la mama, el estómago, el intestino delgado, la piel y la laringe, además del colon. El diagnóstico del HNPCC clásico se basa en los criterios de Ámsterdam: 3 o más familiares afectados por cáncer colorrectal, uno familiar de primer grado de los otros dos; 2 o más generaciones afectadas; 1 o más cánceres colorrectales que se presentan antes de los 50 años de edad; exclusión de síndromes de poliposis hereditaria. El término "HNPCC sospechoso" o "HNPCC incompleto" puede utilizarse para describir a familias que no cumplen o solo cumplen parcialmente los criterios de Ámsterdam, pero en quienes se sospecha firmemente una base genética para el cáncer de colon. Función: Probablemente involucrado en la reparación de errores de apareamiento en el ADN. Precaución con la secuencia: Secuencia contaminante. Secuencia de origen desconocido en la parte N-terminal. Similitud: Pertenece a la familia mutL/hexB de reparación de errores de apareamiento del ADN. Subunidad: Heterodímero de MLH1 y MLH3. Especificidad tisular: Ubicuo.

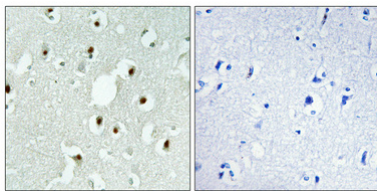
## Área de Investigación

Reparación de desajustes;

## Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células K562 y HT-29, utilizando el anticuerpo MLH3. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis inmunohistoquímico de cerebro humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.