

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MDM2****Nº de Catálogo: APRab13758**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	55kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	MDM2
<b>Nombres Alternativos</b>	MDM2; E3 ubiquitin-protein ligase Mdm2; Double minute 2 protein; Hdm2; Oncoprotein Mdm2; p53-binding protein Mdm2
<b>ID del Gen</b>	4193.0
<b>ID SwissProt</b>	Q00987
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la región C-terminal del MDM2 humano. Rango de AA: 381-430.

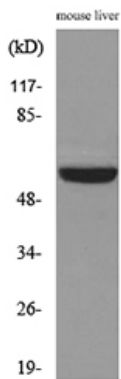
## Antecedentes

Este gen codifica una ubiquitina ligasa E3 localizada en el núcleo. Esta proteína puede promover la formación de tumores al dirigirse a proteínas supresoras de tumores, como p53, para su degradación proteasomal. Este gen está regulado transcripcionalmente por p53. La sobreexpresión o amplificación de este locus se detecta en diversos tipos de cáncer. Existe un pseudogén para este gen en el cromosoma 2. El empalme alternativo da lugar a numerosas variantes de transcripción, muchas de las cuales pueden expresarse únicamente en células tumorales. [proporcionado por RefSeq, junio de 2013], enfermedad: Parece estar amplificado en ciertos tumores (incluidos sarcomas de tejidos blandos, osteosarcomas y gliomas). Se encontró una mayor frecuencia de variantes de empalme que carecen de secuencias del dominio de unión a p53 en carcinomas de ovario y vejiga en estadio avanzado y de alto grado. Cuatro de las variantes de empalme muestran pérdida de la unión a p53. Dominio: La región I es suficiente para unirse a p53 e inhibir sus funciones de detención en G1 y apoptosis. También se une a p73 y E2F1. La región II contiene la mayor parte de una región ácida central necesaria para la interacción con la proteína ribosomal L5 y un supuesto dedo de zinc de tipo C4. El dominio de dedo RING, que coordina dos moléculas de zinc, interactúa específicamente con el ARN, independientemente de la presencia de zinc, y media la heterooligomerización con MDM4. También es esencial para su actividad de ubiquitina ligasa E3 hacia p53 y hacia sí misma. Función: Inhibe la detención del ciclo celular y la apoptosis mediadas por TP53/p53 y TP73/p73 mediante la unión a su dominio de activación transcripcional. Funciona como una ubiquitina ligasa E3, en presencia de E1 y E2, hacia p53 y hacia sí misma. Permite la exportación nuclear de p53 y lo dirige a la proteólisis mediada por el proteasoma. Inducción: Por daño al ADN. Información adicional: Las mutaciones de dedo RING de MDM2 que no lograron ubiquitinar p53 in vitro no dirigieron p53 para su degradación al expresarse en células. Información en línea: Entrada de Mdm2. PTM: Autoubiquitinado; lo que conduce a la degradación proteasómica. PTM: Fosforilado en respuesta a la radiación ionizante de forma dependiente de ATM. Similitud: Pertenece a la familia MDM2/MDM4. Similitud: Contiene un dedo de zinc tipo RanBP2. Similitud: Contiene un dedo de zinc tipo RING. Similitud: Contiene un dominio SWIB. Ubicación subcelular: Se expresa predominantemente en el nucleoplasma. La interacción con ARF(P14) resulta en la localización de ambas proteínas en el nucléolo. Las señales de localización nucleolar tanto en ARF(P14) como en MDM2 pueden ser necesarias para permitir la localización nucleolar eficiente de ambas proteínas. Subunidad: Se une a p53, p73, ARF(P14), proteína ribosomal L5 y, específicamente, al ARN. También puede interactuar con la proteína del retinoblastoma (RB), la proteína EP300 asociada a E1A y el factor de transcripción E2F1. Forma un complejo ternario con TP53/p53 y WWOX. Interactúa con CDKN2AIP, MTBP, TBRG1, USP7, PYHIN1 y UBXN6. La isoforma Mdm2-F no interactúa con TP53/p53. Interactúa con Tat del VIH-1 y la ubiquitina. Especificidad tisular: Ubicuo. La isoforma Mdm2-A, la isoforma Mdm2-B, la isoforma Mdm2-C, la isoforma Mdm2-D, la isoforma Mdm2-E, la isoforma Mdm2-F y la isoforma Mdm2-G se observan en una variedad de cánceres, pero están ausentes en los tejidos normales.

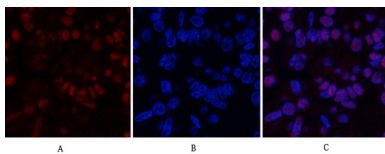
## Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN; p53; Proteólisis mediada por ubiquitina; Endocitosis; Vías en el cáncer; Glioma; Cáncer de próstata; Melanoma; Cáncer de vejiga; Leucemia mieloide crónica;

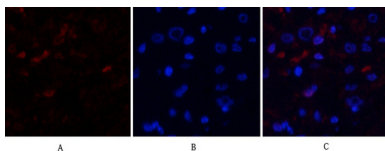
## Datos de Imagen



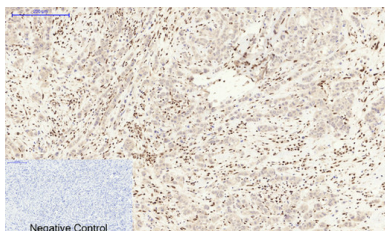
Análisis de transferencia Western de lisado de células de hígado de ratón, utilizando el anticuerpo MDM2.



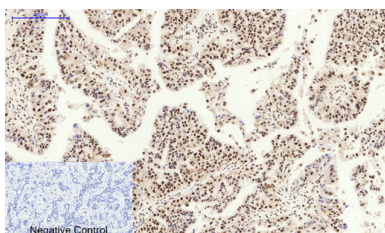
Análisis de inmunofluorescencia de tejido hepático humano canceroso. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 (rojo) se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. El anticuerpo secundario marcado con Cy3 se diluyó a 1:300 (temperatura ambiente, 50 min). 3. Imagen B: DAPI (azul) 10 min. Imagen A: Objetivo. Imagen B: DAPI. Imagen C: Fusión de A+B.



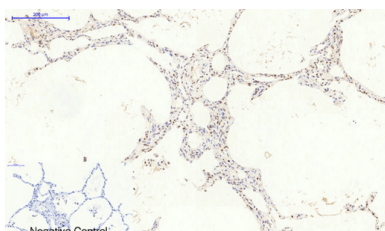
Análisis de inmunofluorescencia de tejido renal canceroso humano. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 (rojo) se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. El anticuerpo secundario marcado con Cy3 se diluyó a 1:300 (temperatura ambiente, 50 min). 3. Imagen B: DAPI (azul) 10 min. Imagen A: Objetivo. Imagen B: DAPI. Imagen C: Fusión de A+B.



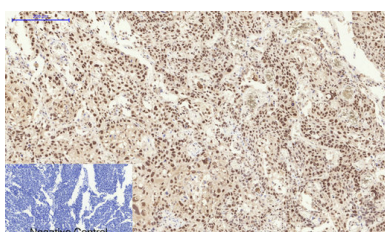
Análisis inmunohistoquímico de tejido de cáncer de mama humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



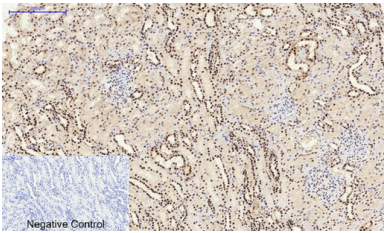
Análisis inmunohistoquímico de tejido de cáncer de hígado humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



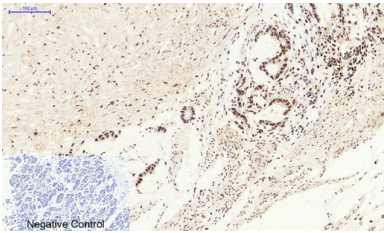
Análisis inmunohistoquímico de tejido pulmonar humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



Análisis inmunohistoquímico de tejido de cáncer de pulmón humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



Análisis inmunohistoquímico de tejido renal humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



Análisis inmunohistoquímico de tejido de cáncer de estómago humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal MDM2 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.