

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo MAST205**Nº de Catálogo: APRab13661**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	196kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MAST2
Nombres Alternativos	MAST2; KIAA0807; MAST205; Microtubule-associated serine/threonine-protein kinase 2
ID del Gen	23139.0
ID SwissProt	Q6P0Q8
Inmunógeno	El antisuero se elaboró contra el péptido sintetizado derivado del MAST2 humano. Rango de AA: 1201-1250.

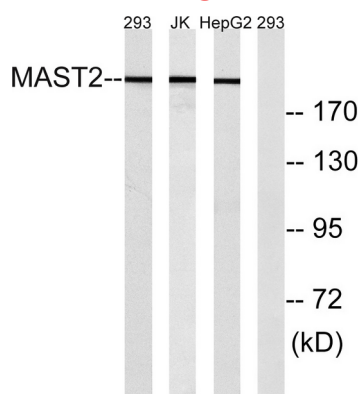
Antecedentes

Actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína. Cofactor: Magnesio. Función: Parece enlazar la red de distrofina/utrofina con los filamentos de microtúbulos a través de las sintrofinas. La fosforilación de DMD o UTRN puede modular su afinidad por las proteínas asociadas. Forma parte de un complejo multiproteico en la maduración de las espermátidas. Regula la síntesis de IL-12 inducida por lipopolisacáridos en macrófagos mediante la formación de un complejo con TRAF6, lo que inhibe la activación de TRAF6 NF-kappa-B. PTM: Fosforilada y ubiquitinada. La ubiquitinación N-terminal conduce a la degradación de MAST2 mediante proteólisis mediada por proteasoma. La fosforilación N-terminal parece ser un prerrequisito para la ubiquitinación. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteína quinasas. Familia de proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de la AGC-quinasa. Similitud: Contiene un dominio PDZ (DHR). Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Se recluta en la zona submembranosa al interactuar con PC-LKC. Especificidad tisular: Abundante en el testículo. Actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína. Cofactor: Magnesio. Función: Parece enlazar la red de distrofina/utrofina con los filamentos de microtúbulos a través de las sintrofinas. La fosforilación de DMD o UTRN puede modular su afinidad por las proteínas asociadas. Forma parte de un complejo multiproteico en la maduración de las espermátidas. Regula la síntesis de IL-12 inducida por lipopolisacáridos en macrófagos mediante la formación de un complejo con TRAF6, lo que inhibe la activación de TRAF6 NF-kappa-B. PTM: Fosforilado y ubiquitinado. La ubiquitinación del extremo N-terminal conduce a la degradación de MAST2 por proteólisis mediada por proteasoma. La fosforilación del extremo N-terminal parece ser un prerrequisito para la ubiquitinación. Similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas AGC Ser/Thr. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de la AGC-quinasa. Similitud: Contiene un dominio PDZ (DHR). Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Se recluta en el área submembranosa al interactuar con PC-LKC. Especificidad tisular: Abundante en el testículo.

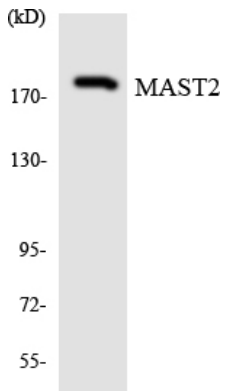
Área de Investigación

-

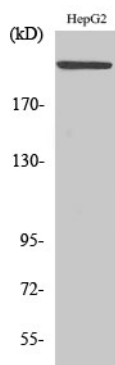
Datos de Imagen



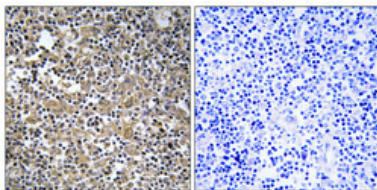
Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat, 293 y HepG2, utilizando el anticuerpo MAST2. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células K562 utilizando el anticuerpo MAST2.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal MAST205



Análisis inmunohistoquímico de cáncer de pulmón humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.