

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Mad 4**Nº de Catálogo: APRab13550**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	MXD4
Nombres Alternativos	MXD4; BHLHC12; MAD4; Max dimerization protein 4; Max dimerizer 4; Class C basic helix-loop-helix protein 12; bHLHC12; Max-associated protein 4; Max-interacting transcriptional repressor MAD4
ID del Gen	10608.0
ID SwissProt	Q14582
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de MAD4 humano. Rango de AA: 10-59.

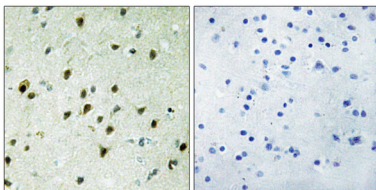
Antecedentes

Este gen es miembro de la familia de genes MAD. Los genes MAD codifican proteínas cremallera de hélice-bucle-hélice-leucina básicas que heterodimerizan con la proteína MAX, formando un complejo de represión transcripcional. Las proteínas MAD compiten por la unión de MAX con MYC, que heterodimeriza con MAX formando un complejo de activación transcripcional. Estudios en roedores sugieren que los genes MAD son supresores tumorales y contribuyen a la regulación del crecimiento celular en tejidos diferenciadores. [proporcionado por RefSeq, jul. 2008], función: represor transcripcional. Se une a MAX para formar un complejo de proteína de unión al ADN específico de secuencia que reconoce la secuencia central 5'-CAC[GA]TG-3'. Antagoniza la actividad transcripcional de MYC compitiendo por MAX y suprime la transformación celular dependiente de MYC., similitud: contiene 1 dominio hélice-bucle-hélice básico (bHLH), subunidad: la unión eficiente al ADN requiere dimerización con otra proteína bHLH. Se une al ADN como heterodímero con MAX. Interactúa con SIN3A y SIN3B. Interactúa con RNF17.

Área de Investigación

Epigenética y señalización nuclear; Transcripción; Familias de dominios; Cremallera de leucina/HLH

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido cerebral humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo MAD4. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.