

---

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Lck****Nº de Catálogo: APRab13254**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:10000
<b>Peso Molecular</b>	56kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	LCK LCK; Tyrosine-protein kinase Lck; Leukocyte C-terminal Src kinase; LSK; Lymphocyte cell-specific protein-tyrosine kinase; Protein YT16; Proto-oncogene Lck; T cell-specific protein-tyrosine kinase; p56-LCK
<b>Nombres Alternativos</b>	
<b>ID del Gen</b>	3932.0
<b>ID SwissProt</b>	P06239
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de Lck humana. Rango de AA: 161-210

## Antecedentes

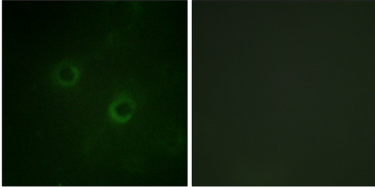
Este gen pertenece a la familia Src de las proteínas tirosina quinasas (PTK). La proteína que codifica es una molécula de señalización clave en la selección y maduración de los linfocitos T en desarrollo. Contiene sitios N-terminales para miristilación y palmitilación, un dominio PTK y los dominios SH2 y SH3, que median las interacciones proteína-proteína con motivos que contienen fosfotirosina y ricos en prolina, respectivamente. La proteína se localiza en la membrana plasmática y las vesículas pericentrosomales, y se une a receptores de la superficie celular, como CD4 y CD8, y a otras moléculas de señalización. Se han descrito múltiples variantes con empalme alternativo que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, agosto de 2016], actividad catalítica:  $ATP + a [proteína]-L-tirosina = ADP + a [proteína]-L-tirosina\ fosfato.$ , enfermedad: Se observa una aberración cromosómica que afecta a LCK en las leucemias. Translocación t(1;7)(p34;q34) con TCRB., dominio: El dominio SH2 media la interacción con SQSTM1. La interacción está regulada por la fosforilación de Ser-59., regulación enzimática: Inhibida por la fosforilación de tirosina., función: Tirosina quinasa que desempeña un papel esencial en la selección y maduración de los linfocitos T en desarrollo en el timo y en la función de los linfocitos T maduros. Se asocia constitutivamente con las porciones citoplasmáticas de los receptores de superficie CD4 y CD8 y desempeña un papel clave en las vías de transducción de señales vinculadas al receptor de antígeno de linfocitos T (TCR). La asociación del TCR con un complejo MHC unido a un antígeno peptídico facilita la interacción de CD4 y CD8 con moléculas MHC de clase II y clase I, respectivamente, y, por lo tanto, recluta la LCK asociada a la vecindad del complejo TCR/CD3. LCK luego fosforila residuos de tirosinas dentro de los motivos de activación basados en tirosinas del inmunorreceptor (ITAM) en las colas citoplasmáticas de las cadenas TCRgamma y las subunidades CD3, iniciando la vía de señalización TCR/CD3. Además, contribuye a la señalización por otras moléculas receptoras. Se asocia directamente con la cola citoplasmática de CD2, y al unirse a la molécula CD2, LCK experimenta hiperfosforilación y activación. También desempeña un papel en la vía de señalización vinculada al receptor IL2 que controla la respuesta proliferativa de las células T. La unión de IL2 a su receptor resulta en un aumento de la actividad de LCK. Se expresa en todas las etapas del desarrollo del timocitos y es necesario para la regulación de los eventos de maduración que son gobernados tanto por el pre-TCR como por el TCR alfa beta maduro., espectrometría de masas: PubMed:11840567, información en línea: entrada Lck, PTM: fosforilada en Tyr-394, lo que aumenta la actividad enzimática (por similitud). fosforilada en Tyr-505, lo que disminuye la actividad., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de las proteínas quinasas Tyr. Subfamilia SRC., similitud: contiene 1 dominio de proteína quinasa., similitud: contiene 1 dominio SH2., similitud: contiene 1 dominio SH3., ubicación subcelular: presente en las balsas lipídicas en una forma inactiva., subunidad: se une al dominio citoplasmático de los receptores de la superficie celular, como CD2, CD4, CD5, CD8, CD44, CD45 y CD122. También se une a moléculas efectoras como PI4K, VAV1, RASA1, FYB y a otras proteínas quinasas, como CDC2, RAF1, ZAP70 y SYK. Se une a la fosfatidilinositol 3'-quinasa (PI3K) de los linfocitos T a través de su dominio SH3 y a la forma tirosina fosforilada de KHDRBS1/p70 a través de su dominio SH2. Se une a la proteína Nef del VIH-1 a través de su dominio SH3. Esta interacción inhibe su actividad tirosina quinasa. Interactúa con SQSTM1. Interactúa con LIME1 fosforilada. Interactúa con CBLB y PTPRH. Especificidad tisular: Se expresa específicamente en células linfoides.

## Área de Investigación

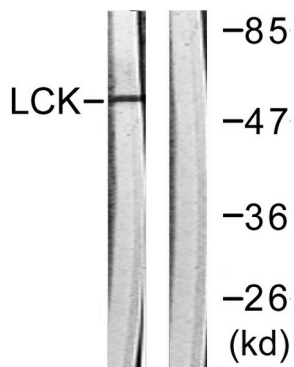
Citotoxicidad mediada por células asesinas naturales; Receptor de células T; Inmunodeficiencia primaria;

---

## Datos de Imagen



Análisis de inmunofluorescencia de células COS7 con el anticuerpo Lck. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat con el anticuerpo Lck. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.