

---

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo LARG****Nº de Catálogo: APRab13217**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300
<b>Peso Molecular</b>	173kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	ARHGEF12
<b>Nombres Alternativos</b>	ARHGEF12; KIAA0382; LARG; Rho guanine nucleotide exchange factor 12; Leukemia-associated RhoGEF
<b>ID del Gen</b>	23365.0
<b>ID SwissProt</b>	Q9NZN5
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del ARHGEF12 humano. Rango de AA: 449-498.

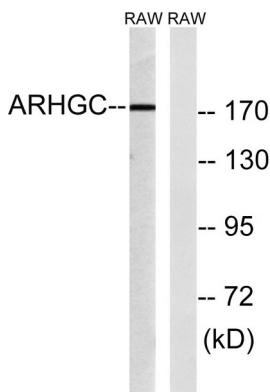
## Antecedentes

Las Rho GTPasas desempeñan un papel fundamental en numerosos procesos celulares iniciados por estímulos extracelulares que actúan a través de receptores acoplados a la proteína G. La proteína codificada puede formar un complejo con proteínas G y estimular señales dependientes de Rho. Se ha observado que esta proteína forma una pareja de fusión mieloide/linfoide en la leucemia mieloide aguda. Se han encontrado tres variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas para este gen. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2014], enfermedad: Una aberración cromosómica que afecta a ARHGEF12 puede ser una causa de leucemia aguda. Translocación t(11;11)(q23;23) con MLL., función: Puede desempeñar un papel en la regulación de la RhoA GTPasa por la unión de nucleótidos de guanina alfa-12 (GNA12) y alfa-13 (GNA13). Actúa como factor de intercambio de nucleótidos de guanina (GEF) para la GTPasa RhoA y puede actuar como proteína activadora de GTPasa (GAP) para GNA12 y GNA13. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Precaución: Secuencia contaminante. Posible secuencia poli-A. Similitud: Contiene un dominio DH (homología DBL). Similitud: Contiene un dominio PDZ (DHR). Similitud: Contiene un dominio PH. Similitud: Contiene un dominio RGSL (similar a RGS). Ubicación subcelular: Se transloca a la membrana tras estimulación. Subunidad: Interactúa con GNA12 y GNA13, probablemente a través del dominio similar a RGS. Interactúa con RHOA, PLXNB1 y PLXNB2. Interactúa a través de su dominio PDZ con la subunidad beta de IGF1R. Especificidad tisular: Se expresa de forma ubicua. La isoforma 2 se encuentra en el yeyuno y el testículo.

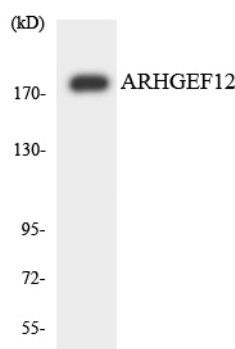
## Área de Investigación

Regulación de la dinámica de la actina; AMPK

## Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células RAW264.7, utilizando el anticuerpo ARHGFC12. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HUVEC utilizando el anticuerpo ARHGFC12.

Análisis Western Blot de células RAW264.7 usando el anticuerpo policlonal LARG

