

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Ku-86**Nº de Catálogo: APRab13158**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	80kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	XRCC5 XRCC5; G22P2; X-ray repair cross-complementing protein 5; 86 kDa subunit of Ku
Nombres Alternativos	antigen; ATP-dependent DNA helicase 2 subunit 2; ATP-dependent DNA helicase II 80 kDa subunit; CTC box-binding factor 85 kDa subunit; CTC85; CTCBF; DNA repair pr
ID del Gen	7520.0
ID SwissProt	P13010
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del XRCC5 humano. Rango de AA: 441-490.

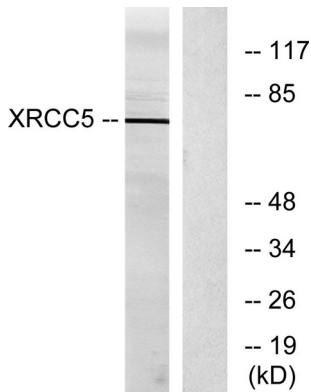
Antecedentes

La proteína codificada por este gen es la subunidad de 80 kilodaltons de la proteína heterodímera Ku, también conocida como ADN helicasa II dependiente de ATP o proteína reparadora del ADN XRCC5. Ku es el componente de unión al ADN de la proteína quinasa dependiente del ADN y funciona junto con el complejo ADN ligasa IV-XRCC4 en la reparación de la rotura de la doble cadena del ADN mediante la unión de extremos no homólogos y la finalización de los eventos de recombinación V(D)J. Este gen complementa funcionalmente al *xrs-6* del hámster chino, un mutante defectuoso en la reparación de la rotura de la doble cadena del ADN y en la capacidad de experimentar la recombinación V(D)J. Un polimorfismo microsatélite poco común en este gen se asocia con el cáncer en pacientes con radiosensibilidad variable. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], etapa de desarrollo: La expresión aumenta durante la diferenciación de los promielocitos., enfermedad: Las personas con lupus eritematoso sistémico (LES) y trastornos relacionados producen cantidades extremadamente altas de autoanticuerpos contra p70 y p86., dominio: El motivo EEXXXDDL es necesario para la interacción con la subunidad catalítica PRKDC y su reclutamiento a sitios de daño en el ADN., función: Helicasa dependiente de ATP y dependiente de ADN monocatenario. Participa en la translocación cromosómica. El complejo ADN helicasa II se une preferentemente a los extremos en forma de horquilla del ADN bicatenario de forma dependiente del ciclo celular. Actúa en la dirección 3'-5'. La unión al ADN puede estar mediada por p70. Participa en la unión de extremos no homólogos del ADN (NHEJ), necesaria para la reparación de roturas de doble cadena y la recombinación V(D)J. El dímero Ku p70/p86 actúa como subunidad reguladora del complejo de proteína quinasa dependiente de ADN, DNA-PK, al aumentar 100 veces la afinidad de la subunidad catalítica PRKDC por el ADN. El dímero Ku p70/p86 probablemente participa en la estabilización de los extremos rotos del ADN y su unión. El ensamblaje del complejo DNA-PK a los extremos del ADN es necesario para la ligadura de la unión NHEJ. En asociación con NARG1, el dímero Ku p70/p86 se une al promotor de osteocalcina y activa su expresión. Inducción: En osteoblastos, por FGF2. PTM: Fosforilado en residuos de serina. La fosforilación por PRKDC puede potenciar la actividad helicasa. PTM: Sumoilado. Similitud: Pertenece a la familia ku80. Similitud: Contiene un dominio Ku. Subunidad: Heterodímero de una subunidad de 70 kDa y otra de 80 kDa. El dímero se asocia con PRKDC de forma dependiente del ADN para formar el complejo de proteína quinasa dependiente del ADN DNA-PK, y con el complejo LIG4-XRCC4. El dímero también se asocia con NARG1, y este complejo muestra actividad de unión al ADN hacia el elemento de respuesta al FGF de osteocalcina (OCFRE). Además, la subunidad de 80 kDa se une a los factores de transcripción específicos de osteoblastos MSX2 y RUNX2. Interactúa con ELF3. Puede interactuar con APLF.

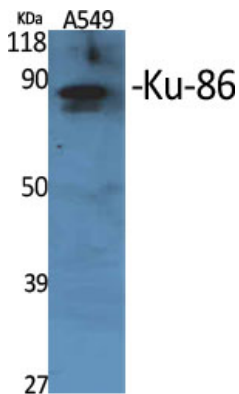
Área de Investigación

Unión de extremos no homólogos;

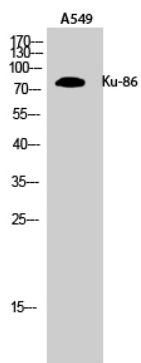
Datos de Imagen



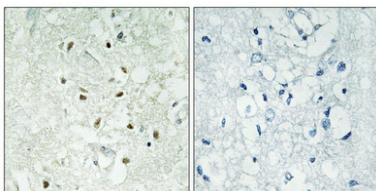
Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat con el anticuerpo XRCC5. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Ku-86



Análisis Western Blot de células A549 utilizando el anticuerpo policlonal Ku-86



Análisis inmunohistoquímico de cerebro humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.