

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Ku-80**Nº de Catálogo: APRab13157**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Mono
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	80kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	XRCC5 XRCC5; G22P2; X-ray repair cross-complementing protein 5; 86 kDa subunit of Ku
Nombres Alternativos	antigen; ATP-dependent DNA helicase 2 subunit 2; ATP-dependent DNA helicase II 80 kDa subunit; CTC box-binding factor 85 kDa subunit; CTC85; CTCBF; DNA repair pr
ID del Gen	7520.0
ID SwissProt	P13010
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de Ku70/80 humano. Rango de AA: 683-732.

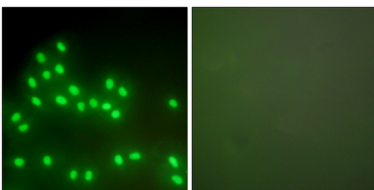
Antecedentes

La proteína codificada por este gen es la subunidad de 80 kilodaltons de la proteína heterodímera Ku, también conocida como ADN helicasa II dependiente de ATP o proteína reparadora del ADN XRCC5. Ku es el componente de unión al ADN de la proteína quinasa dependiente del ADN y funciona junto con el complejo ADN ligasa IV-XRCC4 en la reparación de la rotura de la doble cadena del ADN mediante la unión de extremos no homólogos y la finalización de los eventos de recombinación V(D)J. Este gen complementa funcionalmente al *xrs-6* del hámster chino, un mutante defectuoso en la reparación de la rotura de la doble cadena del ADN y en la capacidad de experimentar la recombinación V(D)J. Un polimorfismo microsatélite poco común en este gen se asocia con el cáncer en pacientes con radiosensibilidad variable. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], etapa de desarrollo: La expresión aumenta durante la diferenciación de los promielocitos., enfermedad: Las personas con lupus eritematoso sistémico (LES) y trastornos relacionados producen cantidades extremadamente altas de autoanticuerpos contra p70 y p86., dominio: El motivo EEXXXDDL es necesario para la interacción con la subunidad catalítica PRKDC y su reclutamiento a sitios de daño en el ADN., función: Helicasa dependiente de ATP y dependiente de ADN monocatenario. Participa en la translocación cromosómica. El complejo ADN helicasa II se une preferentemente a los extremos en forma de horquilla del ADN bicatenario de forma dependiente del ciclo celular. Actúa en la dirección 3'-5'. La unión al ADN puede estar mediada por p70. Participa en la unión de extremos no homólogos del ADN (NHEJ), necesaria para la reparación de roturas de doble cadena y la recombinación V(D)J. El dímero Ku p70/p86 actúa como subunidad reguladora del complejo de proteína quinasa dependiente de ADN, DNA-PK, al aumentar 100 veces la afinidad de la subunidad catalítica PRKDC por el ADN. El dímero Ku p70/p86 probablemente participa en la estabilización de los extremos rotos del ADN y su unión. El ensamblaje del complejo DNA-PK a los extremos del ADN es necesario para la ligadura de la unión NHEJ. En asociación con NARG1, el dímero Ku p70/p86 se une al promotor de osteocalcina y activa su expresión. Inducción: En osteoblastos, por FGF2. PTM: Fosforilado en residuos de serina. La fosforilación por PRKDC puede potenciar la actividad helicasa. PTM: Sumoilado. Similitud: Pertenece a la familia ku80. Similitud: Contiene un dominio Ku. Subunidad: Heterodímero de una subunidad de 70 kDa y otra de 80 kDa. El dímero se asocia con PRKDC de forma dependiente del ADN para formar el complejo de proteína quinasa dependiente del ADN DNA-PK, y con el complejo LIG4-XRCC4. El dímero también se asocia con NARG1, y este complejo muestra actividad de unión al ADN hacia el elemento de respuesta al FGF de osteocalcina (OCFRE). Además, la subunidad de 80 kDa se une a los factores de transcripción específicos de osteoblastos MSX2 y RUNX2. Interactúa con ELF3. Puede interactuar con APLF.

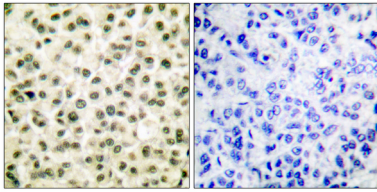
Área de Investigación

Unión de extremos no homólogos;

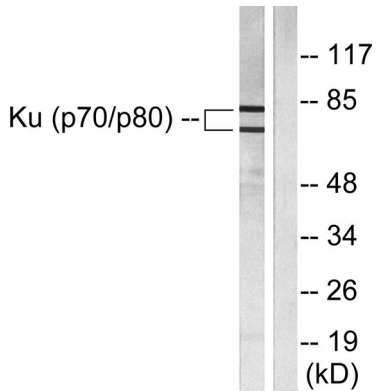
Datos de Imagen



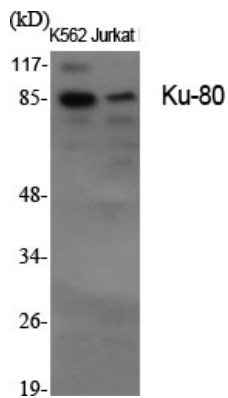
Análisis de inmunofluorescencia de células A549 con el anticuerpo Ku70/80. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo Ku70/80. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células LOVO con el anticuerpo Ku70/80. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Ku-80



Análisis Western Blot de células COS7 utilizando el anticuerpo policlonal Ku-80