

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo KMT1B**Nº de Catálogo: APRab13084**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:300,ELISA 1:2000-1:20000
Peso Molecular	46kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SUV39H2
Nombres Alternativos	SUV39H2; KMT1B; Histone-lysine N-methyltransferase SUV39H2; Histone H3-K9 methyltransferase 2; H3-K9-HMTase 2; Lysine N-methyltransferase 1B; Suppressor of variegation 3-9 homolog 2; Su(var)3-9 homolog 2
ID del Gen	79723.0
ID SwissProt	Q9H511
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del SUV39H2 humano. Rango de AA: 111-160.

Antecedentes

Actividad catalítica: S-adenosil-L-metionina + histona L-lisina = S-adenosil-L-homocisteína + histona N(6)-metil-L-lisina.

Dominio: Aunque el dominio SET contiene el sitio activo de la actividad enzimática, tanto el dominio pre-SET como el pos-SET son necesarios para la actividad metiltransferasa. El dominio SET también participa en la unión estable a la heterocromatina.

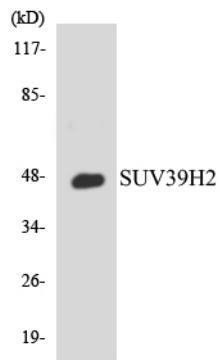
Función: Histona metiltransferasa que trimetila específicamente la "Lys-9" de la histona H3 utilizando la H3 "Lys-9" monometilada como sustrato. La trimetilación de la H3 "Lys-9" representa una etiqueta específica para la represión transcripcional epigenética mediante el reclutamiento de las proteínas HP1 (CBX1, CBX3 y/o CBX5) a las histonas metiladas. Funciona principalmente en las regiones de heterocromatina, desempeñando así un papel central en el establecimiento de la heterocromatina constitutiva en las regiones pericéntricas y teloméricas. La trimetilación de H3 «Lys-9» también es necesaria para dirigir la metilación del ADN en repeticiones pericéntricas. SUV39H1 se dirige a la histona H3 mediante su interacción con RB1 y participa en numerosos procesos, como la regulación del ciclo celular, la represión transcripcional y la regulación de la longitud de los telómeros. Puede participar en la regulación de la organización de la cromatina de orden superior durante la espermatogénesis.

Similitud: Pertenece a la familia de las histonas-lisinas metiltransferasas. Subfamilia Suvar3-9.,similitud:Contiene 1 dominio cromosómico.,similitud:Contiene 1 dominio post-SET.,similitud:Contiene 1 dominio pre-SET.,similitud:Contiene 1 dominio SET.,ubicación subcelular:Se asocia con la heterocromatina constitutiva centromérica.,subunidad:Interactúa con SMAD5.,actividad catalítica:S-adenosil-L-metionina + histona L-lisina = S-adenosil-L-homocisteína + histona N(6)-metil-L-lisina.,dominio:Aunque el dominio SET contiene el sitio activo de la actividad enzimática, tanto el dominio pre-SET como el post-SET son necesarios para la actividad de la metiltransferasa. El dominio SET también participa en la unión estable a la heterocromatina. Función: Metiltransferasa de histonas que trimetila específicamente la lisina 9 de la histona H3 utilizando la lisina 9 monometilada como sustrato. La trimetilación de la lisina 9 de la H3 representa una etiqueta específica para la represión transcripcional epigenética mediante el reclutamiento de proteínas HP1 (CBX1, CBX3 o CBX5) a las histonas metiladas. Funciona principalmente en las regiones de heterocromatina, desempeñando así un papel central en el establecimiento de la heterocromatina constitutiva en las regiones pericéntricas y teloméricas. La trimetilación de la lisina 9 de la H3 también es necesaria para dirigir la metilación del ADN en las repeticiones pericéntricas. SUV39H1 se dirige a la histona H3 a través de su interacción con RB1 y participa en muchos procesos, como la regulación del ciclo celular, la represión transcripcional y la regulación de la longitud de los telómeros. Puede participar en la regulación de la organización de la cromatina de orden superior durante la espermatogénesis. Similitud: Pertenece a la familia de las histonas-lisinas metiltransferasas. Subfamilia Suvar3-9. Similitud: Contiene un dominio cromosómico. Similitud: Contiene un dominio post-SET. Similitud: Contiene un dominio pre-SET. Similitud: Contiene un dominio SET. Ubicación subcelular: Se asocia con la heterocromatina constitutiva centromérica. Subunidad: Interactúa con SMAD5.

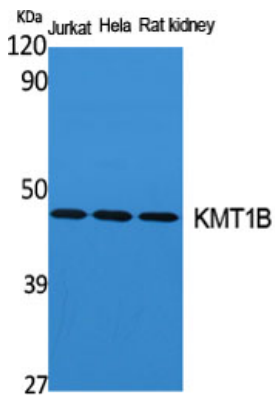
Área de Investigación

Degradación de la lisina;

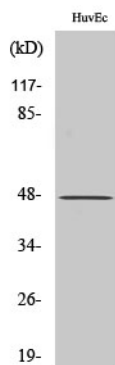
Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de los lisados de 293 células utilizando el anticuerpo SUV39H2.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal KMT1B.



Análisis Western Blot de células COLO205 usando el anticuerpo policlonal KMT1B.