

**Nombre del Producto:** Anticuerpo policlonal de conejo IgM cadena C**Nº de Catálogo:** APRab12449

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	50kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	IGHM
<b>Nombres Alternativos</b>	Ig mu chain C region
<b>ID del Gen</b>	-
<b>ID SwissProt</b>	P01871
<b>Inmunógeno</b>	Péptido sintetizado derivado de la cadena C de IgM en el rango AA: 391-440

**Antecedentes**

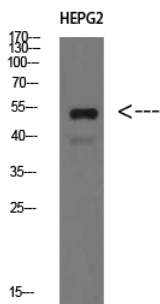
Las inmunoglobulinas (Ig) son las moléculas de reconocimiento de antígenos de las células B. Una molécula de Ig está formada

por dos cadenas pesadas idénticas y dos cadenas ligeras idénticas (véase MIM 147200) unidas por enlaces disulfuro, de modo que cada cadena pesada está unida a una cadena ligera y las dos cadenas pesadas están unidas entre sí. Cada cadena pesada de Ig tiene una región variable (V) N-terminal que contiene el sitio de unión al antígeno y una región constante (C) C-terminal, codificada por un gen individual de la región C, que determina el isotipo del anticuerpo y proporciona funciones efectoras o de señalización. La región V de la cadena pesada está codificada por uno de cada uno de los tres tipos de genes: genes V (véase MIM 147070), genes de unión (J) (véase MIM 147010) y genes de diversidad (D) (véase MIM 146910). Los genes de la región C se agrupan aguas abajo de los genes de la región V dentro del locus de la cadena pesada en el cromosoma 14. El gen IGHM codifica la región C de la cadena pesada mu, que dEnfermedad: Las aberraciones cromosómicas que involucran a IGHG1 pueden ser una causa de mieloma múltiple [MIM:254500]. Translocación t(11;14)(q13;q32) con CCND1; translocación t(4;14)(p16.3;q32.3) con FGFR3; translocación t(6;14)(p25;q32) con IRF4.,varios:La proteína de la enfermedad OMM puede representar una forma alélica u otra subclase de la cadena gamma.,varios:La proteína de la enfermedad WIS carece de la mayor parte de la región V y de toda la región CH1.,varios:La proteína de la enfermedad ZUC carece de la mayor parte de la región V, de toda la región CH1 y de parte de la bisagra en comparación con las cadenas pesadas gamma-3 normales.,varios:EU también difiere en los estados de amidación de los residuos 155, 166, 177, 195, 198, 269 y 272 y en el orden de los residuos 268-272.,varios:KOL también difiere en los estados de amidación de los residuos 198, 267 y 272.,varios:Nie también difiere en los estados de amidación de 35, 116, 198, 269 y 272., varios: Nie tiene el marcador alotípico G1M(17), 97-K, y los marcadores G1M(1), 239-D y 241-L. Las secuencias KOL y EU tienen el marcador G1M(3) y los marcadores G1M (no 1),.misceláneos:la región bisagra en las cadenas gamma-3 es aproximadamente cuatro veces más larga que en otras cadenas gamma y contiene tres segmentos idénticos de 15 residuos precedidos por un segmento similar de 17 residuos (12-28),información en línea:base de datos de mutaciones IGHM,polimorfismo:las 4 combinaciones de los polimorfismos S/G y V/G en las posiciones 191 y 216 se han observado en las cadenas mu humanas.,ubicación subcelular:durante la diferenciación, los linfocitos B cambian de la expresión de IgM unida a la membrana a la secreción de IgM.,subunidad:dímero unido por 12 enlaces disulfuro; tiene un enlace disulfuro intercatenario adicional en la posición 7 además de los 11 normalmente presentes en la región bisagra.

## Área de Investigación

Inmunología

## Datos de Imagen



Análisis de Western Blot de células HEPG2 con anticuerpo policlonal IgM cadena C diluido a 1:500. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.

