

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo HMG-I/HMG-Y**Nº de Catálogo:** APRab12118

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	HMGA1 HMG1Y
Nombres Alternativos	High mobility group protein HMG-I/HMG-Y (HMG-I(Y));High mobility group AT-hook protein 1;High mobility group protein A1;High mobility group protein R)
ID del Gen	3159.0
ID SwissProt	P17096
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de HMG-I/HMG-Y humana. AA20-60

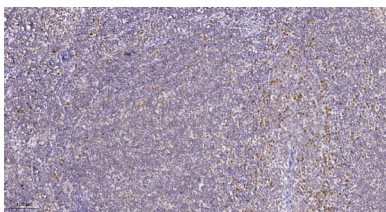
Antecedentes

Este gen codifica una proteína asociada a la cromatina que participa en la regulación de la transcripción génica, la integración de retrovirus en los cromosomas y la progresión metastásica de las células cancerosas. La proteína codificada se une preferentemente al surco menor de las regiones ricas en AT del ADN bicatenario. Se han encontrado múltiples variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas para este gen. Se han identificado pseudogenes de este gen en múltiples cromosomas. [proporcionado por RefSeq, enero de 2016], enfermedad: Se encuentra una aberración cromosómica que afecta a HMGA1 en el hamartoma condroide pulmonar. Translocación t(6;14)(p21;q23-24) con RAD51L1., función: HMG-I/Y se une preferentemente al surco menor de las regiones ricas en A+T del ADN bicatenario. Se sugiere que estas proteínas podrían funcionar en la fase de los nucleosomas y en el procesamiento del extremo 3' de las transcripciones de ARNm. También participan en la regulación de la transcripción de genes que contienen o están muy cerca de regiones ricas en A+T., espectrometría de masas: Con 1 grupo acetilo y 2 grupos fosfato PubMed:15302935, espectrometría de masas: Con 1 grupo acetilo y 3 grupos fosfato PubMed:15302935, espectrometría de masas: Con 1 grupo acetilo, 1 grupo metilo y 2 grupos fosfato PubMed:15302935, espectrometría de masas: Con 1 grupo acetilo, 1 grupo metilo y 3 grupos fosfato PubMed:15302935, espectrometría de masas: Con 1 grupo acetilo, 2 grupos metilo y 2 grupos fosfato PubMed:15302935, espectrometría de masas: Con 1 grupo acetilo, 2 grupos metilo y 3 grupos fosfato PubMed:15302935, PTM: Constitutivamente fosforilado en dos o Tres sitios. Se fosforiló tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Hiperfosforiló en las primeras etapas de la apoptosis, seguida de desfosforilación y metilación, que coincide con la condensación de la cromatina. La isoforma HMG-Y puede ser fosforilada por HIPK2. PTM: La HMG-Y no está metilada. PTM: La metilación en Arg-58 es mutuamente excluyente con la metilación en Arg-60. Similitud: Pertenece a la familia HMGA. Similitud: Contiene tres dominios de unión al ADN con gancho A.T. Subunidad: Interactúa con HIPK2 (por similitud). Interactúa con el complejo de preintegración del VIH-1.

Área de Investigación

Microbiología

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de amígdala humana incluida en parafina. 1. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9.0 para la recuperación del antígeno. 2. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4 °C durante la noche). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).