

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo HES-6****Nº de Catálogo: APRab11995**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	30kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	HES6
<b>Nombres Alternativos</b>	HES6; BHLHB41; Transcription cofactor HES-6; C-HAIRY1; Class B basic helix-loop-helix protein 41; bHLHb41; Hairy and enhancer of split 6
<b>ID del Gen</b>	55502.0
<b>ID SwissProt</b>	Q96HZ4
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del HES6 humano. Rango de AA: 1-50.

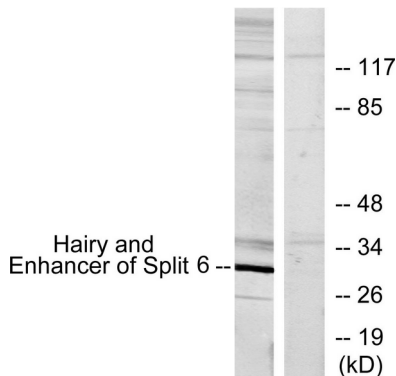
## Antecedentes

Este gen codifica un miembro de una subfamilia de represores básicos de la transcripción hélice-bucle-hélice que presentan homología con el potenciador de genes divididos de *Drosophila*. Los miembros de esta familia de genes regulan la diferenciación celular en numerosos tipos celulares. La proteína codificada por este gen funciona como cofactor, interactuando con otros factores de transcripción a través de un dominio tetrapeptídico en su extremo C-terminal. Se han descrito variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, diciembre de 2008] Dominio: Posee un tipo particular de dominio básico (presencia de una prolina que interrumpe la hélice) que se une a la caja N (CACNAG), en lugar de a la caja E canónica (CANNTG). El motivo WRPW C-terminal es un dominio de represión transcripcional necesario para la interacción con miembros de la familia Groucho/TLE, correpresores transcripcionales reclutados a ADN diana específico por proteínas relacionadas con Hairy. Función: No se une al ADN en sí, pero suprime tanto la represión transcripcional dependiente de la caja N mediada por HES1 como la unión de HES1 a secuencias de la caja E. También suprime la inhibición mediada por HES1 del heterodímero formado por ASCL1/MASH1 y TCF3/E47, lo que permite que ASCL1 y TCF3 regulen positivamente la transcripción en su presencia. Promueve la diferenciación celular. Similitud: Contiene un dominio básico de hélice-bucle-hélice (bHLH). Similitud: Contiene un dominio naranja. Subunidad: La represión de la transcripción requiere la formación de un complejo con una proteína correpresora de la familia Groucho/TLE. Interactúa con HES1.

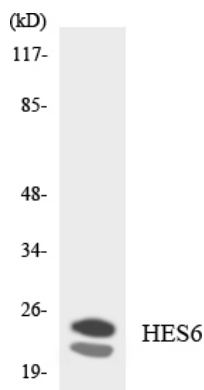
## Área de Investigación

-

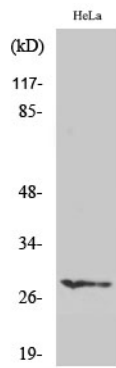
## Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células HeLa con el anticuerpo HES6. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de 293 células utilizando el anticuerpo HES6.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal HES-6 diluido a 1:1000.