

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo GRIP-1**Nº de Catálogo: APRab11770**

Solo para uso en investigación.

Resumen

| | |
|-----------------------|--|
| Descripción | Anticuerpo policlonal de conejo |
| Huésped | Conejo |
| Aplicación | IHC, ICC/IF, ELISA |
| Reactividad | Humano, Rata, Ratón |
| Conjugación | No conjugado |
| Modificación | Sin modificar |
| Isotipo | IgG |
| Clonalidad | Policlonal |
| Formato | Líquido |
| Concentración | 1 mg/ml |
| Almacenamiento | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación. |
| Envío | Bolsas de hielo |
| Tampon | Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N. |
| Purificación | Purificación por afinidad |

Aplicación

| | |
|-----------------------------|---|
| Relación de Dilución | IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:20000-1:40000 |
| Peso Molecular | - |

Información del Antígeno

| | |
|-----------------------------|--|
| Nombre del Gen | NCOA2 |
| Nombres Alternativos | NCOA2; BHLHE75; TIF2; Nuclear receptor coactivator 2; NCoA-2; Class E basic helix-loop-helix protein 75; bHLHe75; Transcriptional intermediary factor 2; hTIF2 |
| ID del Gen | 10499.0 |
| ID SwissProt | Q15596 |
| Inmunógeno | El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del NCoA2 humano. Rango de AA: 702-751. |

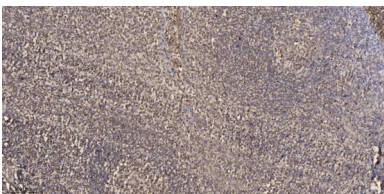
Antecedentes

La proteína codificada por este gen funciona como un coactivador transcripcional para los receptores nucleares de hormonas, incluyendo los receptores de esteroides, tiroideos, retinoides y vitamina D. La proteína codificada actúa como un factor intermediario para la actividad dependiente de ligando de estos receptores nucleares, que regulan sus genes diana tras la unión de elementos de respuesta cognados. Se ha descubierto que este gen está involucrado en translocaciones que resultan en fusiones con otros genes en varios cánceres, incluyendo el gen de la lisina acetiltransferasa 6A (KAT6A) en la leucemia mieloide aguda, el gen de la variante 6 de ETS (ETV6) en la leucemia linfoblástica aguda, y el gen del factor de transcripción bHLH de la familia relacionada con hes con motivo YRPW 1 (HEY1) en el condrosarcoma mesenquimal. El empalme alternativo resulta en múltiples variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, marzo de 2016], enfermedad: Las aberraciones cromosómicas que afectan a NCOA2 podrían ser causa de leucemias mieloides agudas. La inversión inv(8)(p11;q13) genera el oncogén MYST3-NCOA2, que consiste en la porción aminoterminal de MYST3/MOZ y la porción carboxiterminal de NCOA2/TIF2. MYST3-NCOA2 se une a CREBBP e interrumpe su función en la activación de la transcripción., dominio: Contiene dos dominios de activación de la transcripción carboxiterminales (AD1 y AD2) que pueden funcionar de forma independiente., dominio: Contiene cuatro motivos Leu-Xaa-Xaa-Leu-Leu (LXXLL). Los motivos LXXLL son esenciales para la asociación con receptores nucleares y son, al menos en parte, funcionalmente redundantes. Dominio: El motivo LLXXLXXXL participa en la coactivación transcripcional y la unión de CREBBP/CBP. Función: Coactivador transcripcional para receptores de esteroides y receptores nucleares. Coactivador del dominio de unión de esteroides (AF-2), pero no del dominio modulador N-terminal (AF-1). Necesario junto con NCOA1 para controlar el equilibrio energético entre los tejidos adiposos blanco y pardo. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la familia de coactivadores del receptor nuclear SRC/p160. Similitud: Contiene un dominio básico de hélice-bucle-hélice (bHLH). Similitud: Contiene un dominio PAS (PER-ARNT-SIM). Subunidad: Presente en un complejo que contiene CARM1 y EP300/P300, e interactúa con CARM1 y NR3C2 (por similitud). Presente en un complejo que contiene NCOA3, IKKA, IKKB, IKBKG y CREBBP. Interactúa (vía C-terminal) con CREBBP. Interactúa con HIF1A, NCOA1, APEX y NR3C1. Interactúa con CASP8AP2 y TTL5/STAMP. Interactúa con ESR1, RARA y RXRA.

Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de amígdala humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4° durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).