

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo GPR116**Nº de Catálogo: APRab11629**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	150kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	GPR116
Nombres Alternativos	GPR116; KIAA0758; Probable G-protein coupled receptor 116
ID del Gen	221395.0
ID SwissProt	Q8IZF2
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del GPR116 humano. Rango de AA: 11-60

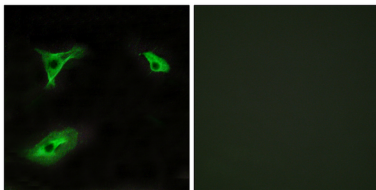
Antecedentes

Función: Podría desempeñar un papel en la regulación del equilibrio ácido-base. **PTM:** Se divide proteolíticamente en dos sitios altamente conservados: uno en el dominio SEA y el otro en la región del dominio del tallo, que precede a la primera región transmembrana. Las dos subunidades posteriores, la subunidad extracelular y la subunidad de siete regiones transmembrana, permanecen estrechamente asociadas y unidas de forma no covalente. **Precaución con la secuencia:** Secuencia contaminante. **Posible secuencia poli-A.** **Similitud:** Pertenece a la familia de receptores acoplados a proteína G 2. Subfamilia LN-TM7. **Similitud:** Contiene un dominio GPS. **Similitud:** Contiene un dominio SEA. **Similitud:** Contiene tres dominios similares a Ig (similares a inmunoglobulinas). **Subunidad:** Existe como dímeros unidos por enlaces disulfuro en la superficie celular. **Función:** Podría participar en la regulación del equilibrio ácido-base. **PTM:** Se divide proteolíticamente en dos sitios altamente conservados: uno en el dominio SEA y el otro en la región del dominio de tallo que precede a la primera región transmembrana. Las dos subunidades posteriores, la subunidad extracelular y la subunidad de siete regiones transmembrana, permanecen estrechamente asociadas y no covalentemente unidas. **Precaución:** Secuencia contaminante. **Posible secuencia poli-A.** **Similitud:** Pertenece a la familia de receptores acoplados a proteína G 2. Subfamilia LN-TM7.,**similitud:**Contiene 1 dominio GPS.,**similitud:**Contiene 1 dominio SEA.,**similitud:**Contiene 3 dominios similares a Ig (similares a inmunoglobulinas),**subunidad:**Existe como dímeros unidos por disulfuro en la superficie celular.

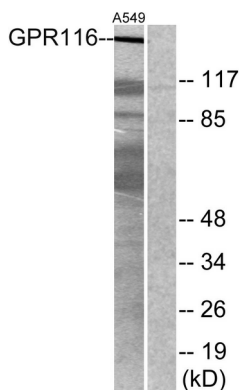
Área de Investigación

-

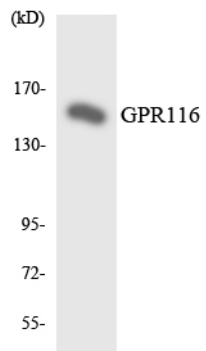
Datos de Imagen



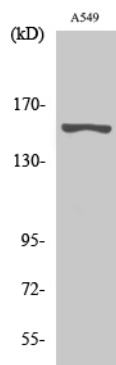
Análisis de inmunofluorescencia de células HeLa con el anticuerpo GPR116. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células A549 con el anticuerpo GPR116. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HeLa utilizando el anticuerpo GPR116.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal GPR116 diluido a 1:500