

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ETO-2**Nº de Catálogo: APRab10647**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CBFA2T3 CBFA2T3; MTG16; MTGR2; ZMYND4; Protein CBFA2T3; MTG8-related protein 2; Myeloid
Nombres Alternativos	translocation gene on chromosome 16 protein; hMTG16; Zinc finger MYND domain-containing protein 4
ID del Gen	863.0
ID SwissProt	O75081
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del MTG16 humano. Rango de AA: 261-310.

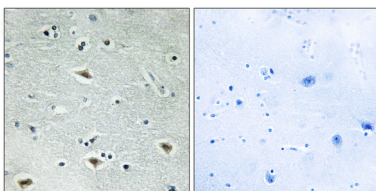
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de genes de translocación mieloide que interactúan con factores de transcripción unidos al ADN y reclutan una gama de correpresores para facilitar la represión transcripcional. La translocación t(16;21)(q24;q22) es una de las anomalías cariotípicas menos comunes en la leucemia mieloide aguda. La translocación produce un gen quimérico compuesto por la región 5' del gen del factor de transcripción 1 relacionado con runt fusionado a la región 3' de este gen. Este gen también es un supuesto supresor de tumores de mama. El empalme alternativo resulta en variantes de transcripción. [proporcionado por RefSeq, noviembre de 2010], enfermedad: Se encuentra una aberración cromosómica que involucra a CBFA2T3 en neoplasias malignas mieloides relacionadas con la terapia. La translocación t(16;21)(q24;q22) que forma una proteína de fusión RUNX1-CBFA2T3., función: Funciona como un represor transcripcional. Regula la proliferación y la diferenciación de los progenitores eritroides mediante la represión de la expresión de los genes diana de TAL1. Participa en la diferenciación de granulocitos. La isoforma 2 funciona como proteína de anclaje de la A-quinasa (PubMed:11823486). Inducción: Regulada negativamente por el ácido retinoico all-trans. Similitud: Pertenece a la familia CBFA2T. Similitud: Contiene un dedo de zinc tipo MYND. Similitud: Contiene un dominio TAFH (NHR1). Ubicación subcelular: La proteína de fusión RUNX1-CBFA2T3 se localiza en el nucleoplasma. Subunidad: Componente de un complejo TAL-1 compuesto al menos por CBFA2T3, LDB1, TAL1 y TCF3 (por similitud). Heterodímero con RUNX1T1 y CBFA2T2. Interactúa con ERBB4, HDAC1, HDAC2, HDAC3, HDAC6, HDAC8, NCOR1, NCOR2 y ZNF652. Según Hoogeveen et al. (PubMed:12242670), es posible que no interactúe con HDAC6. La isoforma 2 interactúa con PRKAR2A, PDE7A y probablemente con PDE4A. Especificidad tisular: Ampliamente expresada, con mayor expresión en corazón, páncreas, músculo esquelético, bazo, timo y leucocitos de sangre periférica. Se expresa en células hematopoyéticas (a nivel proteico).

Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido cerebral humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo MTG16. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.