

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo EPAS-1**Nº de Catálogo: APRab10504**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	110-120kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	EPAS1
Nombres Alternativos	EPAS1; BHLHE73; HIF2A; MOP2; PASD2; Endothelial PAS domain-containing protein 1; EPAS-1; Basic-helix-loop-helix-PAS protein MOP2; Class E basic helix-loop-helix protein 73; bHLHe73;HIF-1-alpha-like factor; HLF; Hypoxia-inducible factor 2-alpha; HIF-2-alpha; HIF2-alpha; Member of PAS protein 2; PAS domain-containing protein 2
ID del Gen	2034.0
ID SwissProt	Q99814
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de EPAS-1 humano alrededor del sitio de no acetilación de

K385.

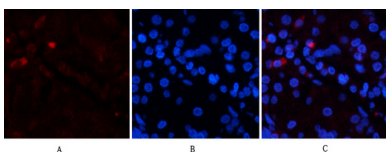
Antecedentes

Proteína 1 del dominio PAS endotelial (EPAS1) Homo sapiens Este gen codifica un factor de transcripción involucrado en la inducción de genes regulados por oxígeno, que se induce a medida que caen los niveles de oxígeno. La proteína codificada contiene un dominio de dimerización de proteínas de dominio de hélice básica-bucle-hélice, así como un dominio encontrado en proteínas en vías de transducción de señales que responden a los niveles de oxígeno. Las mutaciones en este gen se asocian con la eritrocitosis familiar tipo 4. [proporcionado por RefSeq, noviembre de 2009], enfermedad: Los defectos en EPAS1 son la causa de la eritrocitosis familiar tipo 4 (ECYT4) [MIM: 611783]. ECYT4 es un trastorno autosómico dominante que se caracteriza por un aumento de la masa sérica de glóbulos rojos, una concentración elevada de hemoglobina y hematocrito, y recuentos normales de plaquetas y leucocitos., función: Factor de transcripción involucrado en la inducción de genes regulados por oxígeno. Se une a la secuencia central de ADN 5'-[AG]CGTG-3' dentro del elemento de respuesta a la hipoxia (HRE) de los promotores de genes diana. Regula la expresión del factor de crecimiento endotelial vascular (VEGF) y parece estar implicado en el desarrollo de los vasos sanguíneos y el sistema tubular pulmonar. También podría participar en la formación del endotelio que da origen a la barrera hematoencefálica. Potente activador de la expresión de la tirosina quinasa Tie-2. Su activación parece requerir el reclutamiento de coactivadores transcripcionales como CREBBP y probablemente EP300. La interacción con la proteína reguladora redox APEX parece activar CTAD. PTM: En normoxia, se hidroxila en Asn-847 por HIF1AN, lo que probablemente anula la interacción con CREBBP y EP300 e impide la activación transcripcional. PTM: En normoxia, probablemente se hidroxila en Pro-405 y Pro-531 por EGLN1/PHD1, EGLN2/PHD2 o EGLN3/PHD3. Las prolinas hidroxiladas promueven la interacción con VHL, iniciando una rápida ubiquitinación y la posterior degradación proteasómica. En condiciones de hipoxia, la hidroxilación de la prolina se ve afectada y la ubiquitinación se atenúa, lo que resulta en estabilización. PTM: Se fosforiló en múltiples sitios del CTAD. PTM: La 3-hidroxilación de la asparagina, dependiente de hierro y 2-oxoglutarato, es estereoespecífica (S) dentro de los dominios CTAD del HIF. Similitud: Contiene un dominio básico de hélice-bucle-hélice (bHLH). Similitud: Contiene un dominio PAC (terminal C asociado a PAS). Similitud: Contiene dos dominios PAS (PER-ARNT-SIM). Subunidad: La unión eficiente al ADN requiere la dimerización con otra proteína bHLH. Heterodimeriza con ARNT. Interactúa con CREBBP. Especificidad tisular: Se expresa en la mayoría de los tejidos, con niveles máximos en placenta, pulmón y corazón. Se expresa selectivamente en células endoteliales.

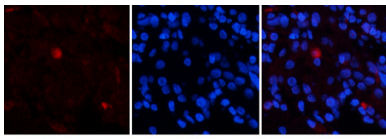
Área de Investigación

Vías en el cáncer; carcinoma de células renales;

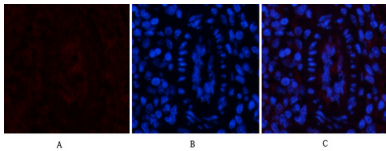
Datos de Imagen



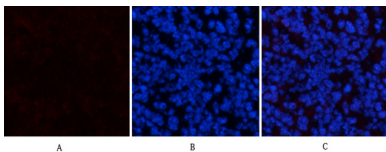
Análisis de inmunofluorescencia de tejido estomacal humano. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 (rojo) se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. El anticuerpo secundario marcado con Cy3 se diluyó a 1:300 (temperatura ambiente, 50 min). 3. Imagen B: DAPI (azul) 10 min. Imagen A: Objetivo. Imagen B: DAPI. Imagen C: Combinación de A+B.



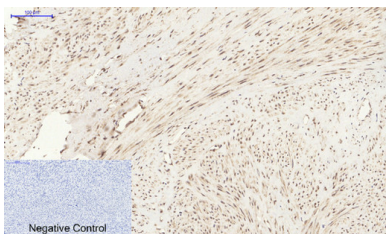
Análisis de inmunofluorescencia de tejido estomacal humano. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 (rojo) se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. El anticuerpo secundario marcado con Cy3 se diluyó a 1:300 (temperatura ambiente, 50 min). 3. Imagen B: DAPI (azul) 10 min. Imagen A: Objetivo. Imagen B: DAPI. Imagen C: Combinación de A+B.



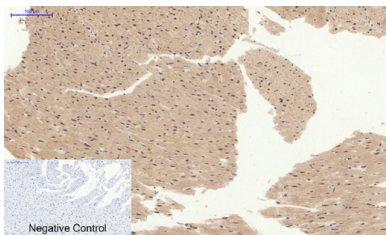
Análisis de inmunofluorescencia de tejido de bazo de ratón. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 (rojo) se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. El anticuerpo secundario marcado con Cy3 se diluyó a 1:300 (temperatura ambiente, 50 min). 3. Imagen B: DAPI (azul) 10 min. Imagen A: Objetivo. Imagen B: DAPI. Imagen C: Fusión de A+B.



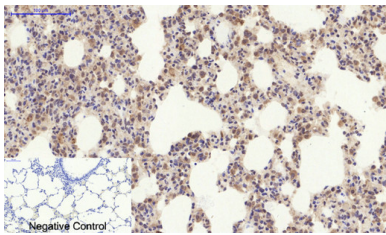
Análisis de inmunofluorescencia de tejido de bazo de ratón. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 (rojo) se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. El anticuerpo secundario marcado con Cy3 se diluyó a 1:300 (temperatura ambiente, 50 min). 3. Imagen B: DAPI (azul) 10 min. Imagen A: Objetivo. Imagen B: DAPI. Imagen C: Fusión de A+B.



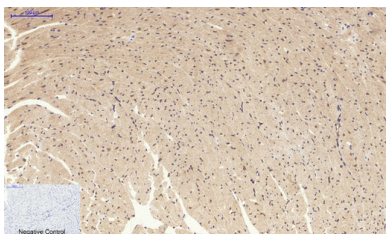
Análisis inmunohistoquímico de tejido uterino humano incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



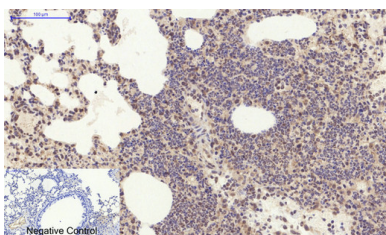
Análisis inmunohistoquímico de tejido cardíaco de rata incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



Análisis inmunohistoquímico de tejido pulmonar de rata incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



Análisis inmunohistoquímico de tejido cardíaco de ratón incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.



Análisis inmunohistoquímico de tejido pulmonar de ratón incluido en parafina. 1. El anticuerpo policlonal EPAS-1 se diluyó a 1:200 (4 °C, durante la noche). 2. Se utilizó citrato de sodio a pH 6,0 para la recuperación de anticuerpos (>98 °C, 20 min). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min). El control negativo se utilizó solo con el anticuerpo secundario.

