

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo E2F-4/5**Nº de Catálogo: APRab10256**

Solo para uso en investigación.

Resumen

| | |
|-----------------------|--|
| Descripción | Anticuerpo policlonal de conejo |
| Huésped | Conejo |
| Aplicación | WB,IHC,ICC/IF,ELISA |
| Reactividad | Humano, Ratón, Rata, Mono |
| Conjugación | No conjugado |
| Modificación | Sin modificar |
| Isotipo | IgG |
| Clonalidad | Policlonal |
| Formato | Líquido |
| Concentración | 1 mg/ml |
| Almacenamiento | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación. |
| Envío | Bolsas de hielo |
| Tampon | Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N. |
| Purificación | Purificación por afinidad |

Aplicación

| | |
|-----------------------------|---|
| Relación de Dilución | WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000 |
| Peso Molecular | 44kDa |

Información del Antígeno

| | |
|-----------------------------|--|
| Nombre del Gen | E2F4/E2F5 |
| Nombres Alternativos | E2F4; Transcription factor E2F4; E2F-4; E2F5; Transcription factor E2F5; E2F-5 |
| ID del Gen | 1874/1875 |
| ID SwissProt | Q16254/Q15329 |
| Inmunógeno | El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del E2F4 humano. Rango de AA: 51-100. |

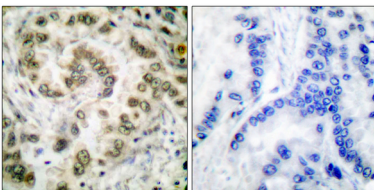
Antecedentes

La proteína codificada por este gen pertenece a la familia de factores de transcripción E2F. Esta familia desempeña un papel crucial en el control del ciclo celular y la acción de las proteínas supresoras de tumores, y también es diana de las proteínas transformantes de los virus tumorales de ADN pequeño. Las proteínas E2F contienen varios dominios conservados evolutivamente presentes en la mayoría de los miembros de la familia. Estos dominios incluyen un dominio de unión al ADN, un dominio de dimerización que determina la interacción con las proteínas de factores de transcripción reguladas por la diferenciación (PD), un dominio de transactivación enriquecido en aminoácidos ácidos y un dominio de asociación a proteínas supresoras de tumores integrado en el dominio de transactivación. Esta proteína se une a las tres proteínas supresoras de tumores pRB, p107 y p130, pero presenta mayor afinidad por las dos últimas. Desempeña un papel importante en la supresión de la etapa de desarrollo asociada a la proliferación: Presente en el estado de crecimiento detenido, su abundancia no cambia significativamente a medida que las células se mueven dentro y a través del ciclo celular. Función: Activador de la transcripción que se une al ADN cooperativamente con proteínas DP a través del sitio de reconocimiento E2, 5'-TTTC[CG]CGC-3' encontrado en la región promotora de varios genes cuyos productos están involucrados en la regulación del ciclo celular o en la replicación del ADN. El complejo DRTF1/E2F funciona en el control de la progresión del ciclo celular de la fase G1 a la S. E2F-4 se une con alta afinidad a RBL1 y RBL2. En algunos casos, también puede unirse a la proteína RB. Polimorfismo: La región poli-Ser de E2F4 es polimórfica y el número de Ser varía en la población (de 8 a 17). La variación podría estar asociada con la tumorigénesis. PTM: Fosforilación diferencial in vivo. Similitud: Pertenece a la familia E2F/DP. Subunidad: Componente del complejo de factores de transcripción DRTF1/E2F. Se une cooperativamente con DP-1 a los sitios E2F. El dímero E2F4/DP-1 interactúa preferentemente con la proteína de bolsillo RBL1, que inhibe el dominio de transactivación de E2F. Se ha observado una interacción de menor afinidad con la proteína de retinoblastoma RB1. Interactúa con TRRAP, que probablemente media su interacción con los complejos de histona acetiltransferasa, lo que provoca la activación de la transcripción. Interactúa con HCFC1. Componente del complejo DREAM (también llamado complejo LINC) compuesto al menos por E2F4, E2F5, LIN9, LIN37, LIN52, LIN54, MYBL1, MYBL2, RBL1, RBL2, RBBP4, TFDP1 y TFDP2. El complejo existe en células quiescentes, donde reprime genes dependientes del ciclo celular. Se disocia en la fase S cuando LIN9, LIN37, LIN52 y LIN54 forman un subcomplejo que se une a MYBL2. Especificidad tisular: Se encuentra en todos los tejidos examinados, incluyendo corazón, cerebro, placenta, pulmón, hígado, músculo esquelético, riñón y páncreas.

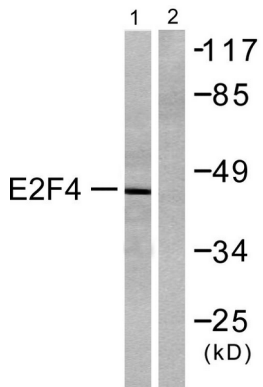
Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN; TGF-beta;

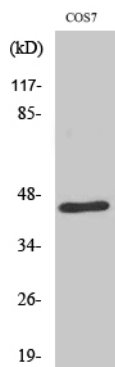
Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma pulmonar humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo E2F4. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células COS7 con el anticuerpo E2F4. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal E2F-4/5.