

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo DDX8**Nº de Catálogo: APRab09894**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	150kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	DHX8
Nombres Alternativos	DHX8; DDX8; ATP-dependent RNA helicase DHX8; DEAH box protein 8; RNA helicase HRH1
ID del Gen	1659.0
ID SwissProt	Q14562
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de DHX8 humano. Rango de AA: 391-440.

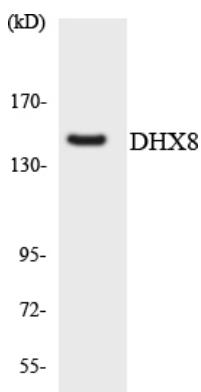
Antecedentes

Este gen pertenece a la familia de polipéptidos de la caja DEAH. La proteína codificada contiene el motivo DEAH (Asp-Glu-Ala-His), característico de todas las proteínas de la caja DEAH, y se cree que funciona como una helicasa de ARN dependiente de ATP que regula la liberación de ARNm empalmados de los espliceosomas antes de su exportación desde el núcleo. Esta proteína podría ser necesaria para la replicación del virus de la inmunodeficiencia humana tipo 1 (VIH-1). El empalme alternativo produce múltiples variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, octubre de 2014] Dominio: El dominio RS confiere una señal de localización nuclear y parece facilitar la interacción con el espliceosoma. Función: Facilita la exportación nuclear de ARNm empalmado mediante la liberación del ARN del espliceosoma. Similitud: Pertenece a la familia de helicasas de la caja DEAD, subfamilia DEAH. Subfamilia DDX8/PRP22.,similitud:Contiene 1 dominio de unión a ATP de helicasa.,similitud:Contiene 1 dominio C-terminal de helicasa.,similitud:Contiene 1 dominio de motivo S1.,subunidad:Identificada en el complejo C del espliceosoma, compuesta al menos por AQR, C19orf29, CDC40, CDC5L, CRNKL1, DDX23, DDX41, DDX48, DDX5, DGCR14, DHX35, DHX38, DHX8, EFTUD2, FRG1, GPATC1, HNRPA1, HNRPA2B1, HNRPA3, HNRPC, HNRPF, HNRPH1, HNRPK, HNRPM, HNRPR, HNRPU, KIAA1160, KIAA1604, LSM2, LSM3, MAGOH, MORG1, PABPC1, PLRG1, PNN, PPIE, PPIL1, PPIL3, PPWD1, PRPF19, PRPF4B, PRPF6, PRPF8, RALY, RBM22, RBM8A, RBMX, SART1, SF3A1, SF3A2, SF3A3, SF3B1, SF3B2, SF3B3, SFRS1, SKIV2L2, SNRNP200, SNRNP40, SNRPA1, SNRPB, SNRPB2, SNRPD1, SNRPD2, SNRPD3, SNRPE, SNRPF, SNRPG, SNW1, SRRM1, SRRM2, SYF2, SYNCRIP, TFIP11, THOC4, U2AF1, XAB2 y ZCCHC8.

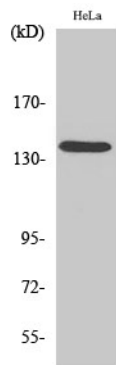
Área de Investigación

Espliceosoma;

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HeLa utilizando el anticuerpo DHX8.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal DDX8 diluido a 1:500.