

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CYP2C19**Nº de Catálogo: APRab09652**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:10000
Peso Molecular	56kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CYP2C19 CYP2C19; Cytochrome P450 2C19; (R)-limonene 6-monooxygenase; (S)-limonene 6-
Nombres Alternativos	monooxygenase; (S)-limonene 7-monooxygenase; CYPIIC17; CYPIIC19; Cytochrome P450-11A; Cytochrome P450-254C; Mephenytoin 4-hydroxylase
ID del Gen	1557.0
ID SwissProt	P33261
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del citocromo P450 2C19 humano. Rango de AA: 241-290.

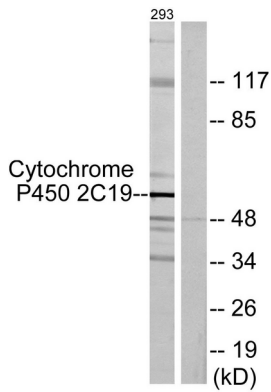
Antecedentes

citocromo P450 familia 2 subfamilia C miembro 19 (CYP2C19) Homo sapiens Este gen codifica un miembro de la superfamilia de enzimas del citocromo P450. Las proteínas del citocromo P450 son monooxigenasas que catalizan muchas reacciones implicadas en el metabolismo de fármacos y la síntesis de colesterol, esteroides y otros lípidos. Esta proteína se localiza en el retículo endoplasmático y se sabe que metaboliza muchos xenobióticos, incluyendo el fármaco anticonvulsivo mefenitoína, omeprazol, diazepam y algunos barbitúricos. El polimorfismo dentro de este gen está asociado con la capacidad variable para metabolizar la mefenitoína, conocidos como los fenotipos de metabolizador lento y metabolizador rápido. El gen se encuentra dentro de un grupo de genes del citocromo P450 en el cromosoma 10q24. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: (+)-(R)-limoneno + NADPH + O(2) = (+)-trans-carveol + NADP(+) + H(2)O., actividad catalítica: (-)-(S)-limoneno + NADPH + O(2) = (-)-alcohol perílico + NADP(+) + H(2)O., actividad catalítica: (-)-(S)-limoneno + NADPH + O(2) = (-)-trans-carveol + NADP(+) + H(2)O., precaución: P450-254C se incluyó originalmente como un gen independiente (CYP2C17). La resecuenciación demostró que no es un gen independiente, sino una quimera. La porción 5' corresponde a un clon parcial 2C18, y la porción 3' corresponde a un clon parcial 2C19.,cofactor:grupo hemo.,función:responsable del metabolismo de varios agentes terapéuticos como el fármaco anticonvulsivo S-mefenitoína, omeprazol, proguanil, ciertos barbitúricos, diazepam, propranolol, citalopram e imipramina.,inducción:el P450 puede ser inducido a altos niveles en el hígado y otros tejidos por varios compuestos extraños, incluyendo fármacos, pesticidas y carcinógenos.,información en línea:alelos CYP2C19,polimorfismo:la variación genética en CYP2C19 es responsable del metabolismo deficiente de fármacos [MIM:609535]. Los individuos pueden caracterizarse como metabolizadores rápidos (ME) o metabolizadores lentos (ML). El fenotipo PM se hereda de forma autosómica recesiva, mientras que el fenotipo EM comprende genotipos homocigotos dominantes y heterocigotos. Existen marcadas diferencias interraciales en la frecuencia de este polimorfismo. Los metabolizadores lentos representan entre el 2 % y el 5 % de las personas caucásicas, entre el 13 % y el 23 % de las poblaciones asiáticas y hasta entre el 38 % y el 79 % de los individuos de algunas islas de Polinesia y Micronesia. Se conocen diferentes alelos de CYP2C19: CYP2C19*1A CYP2C19*1B, CYP2C19*1C, CYP2C19*2A (CYP2C19m1 o CYP2C19m1A), CYP2C19*2B (CYP2C19m1B), CYP2C19*2C (CYP2C19*21), CYP2C19*3A (CYP2C19m2), CYP2C19*3B (CYP2C19*20), CYP2C19*4 (CYP2C19m3), CYP2C19*5A (CYP2C19m4), CYP2C19*5B, CYP2C19*6, CYP2C19*7, CYP2C19*8, CYP2C19*9, CYP2C19*10, CYP2C19*11, CYP2C19*12, CYP2C19*13, CYP2C19*14, CYP2C19*15, CYP2C19*16, CYP2C19*18, CYP2C19*19. Los alelos defectuosos CYP2C19*2 y CYP2C19*3 se caracterizan por una mutación de empalme y un codón de terminación, respectivamente, y representan la mayoría de los alelos PM. La secuencia mostrada corresponde al alelo CYP2C19*1B. Similitud: Pertenece a la familia del citocromo P450.

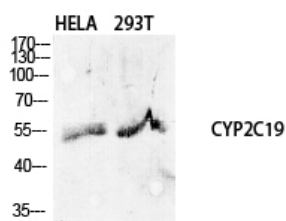
Área de Investigación

Metabolismo del ácido araquidónico;Metabolismo del ácido linoleico;Metabolismo del retinol;Metabolismo de xenobióticos por el citocromo P450;Metabolismo de fármacos;

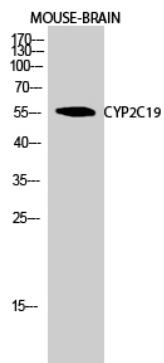
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células 293, utilizando el anticuerpo 2C19 contra el citocromo P450. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal CYP2C19 diluido a 1:1000



Análisis Western Blot de células MOUSE-BRAIN utilizando el anticuerpo policlonal CYP2C19 diluido a 1:1000