

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CUG-BP1**Nº de Catálogo: APRab09530**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	60kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CELF1 CELF1; BRUNOL2; CUGBP; CUGBP1; NAB50; CUGBP Elav-like family member 1; CELF-1; 50
Nombres Alternativos	kDa nuclear polyadenylated RNA-binding protein; Bruno-like protein 2; CUG triplet repeat RNA-binding protein 1; CUG-BP1; CUG-BP- and ETR-3-like factor 1; Dead
ID del Gen	10658.0
ID SwissProt	Q92879
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del CELF-1 humano. Rango de AA: 71-120.

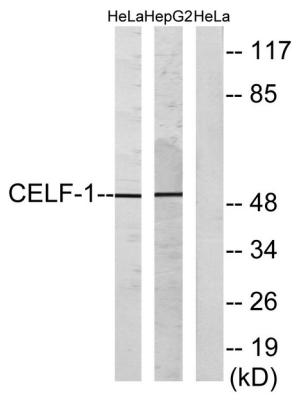
Antecedentes

CUGBP, miembro 1 de la familia similar a Elav (CELF1) Homo sapiens Los miembros de la familia de proteínas CELF/BRUNOL contienen dos dominios de motivo de reconocimiento de ARN (RRM) N-terminal, un dominio RRM C-terminal y un segmento divergente de 160-230 aa entre el segundo y el tercer dominio RRM. Los miembros de esta familia de proteínas regulan el empalme alternativo del pre-ARNm y también pueden estar involucrados en la edición y traducción del ARNm. Este gen puede desempeñar un papel en la distrofia miotónica tipo 1 (DM1) a través de interacciones con el gen de la proteína quinasa de la distrofia miotónica (DMPK). El empalme alternativo da como resultado múltiples variantes de transcripción que codifican diferentes isoformas. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], enfermedad: CUGBP1 puede estar involucrado en el mecanismo de la distrofia miotónica. Se une a la expansión repetida CUG de la región no traducida CC del gen de la proteína quinasa de miotonina (Mt-PK). Función: proteína de unión a ARN implicada en la regulación de varios eventos postranscripcionales. Implicada en el empalme alternativo del pre-ARNm, la traducción y la estabilidad del ARNm. Media la inclusión y/o exclusión de exones en el pre-ARNm que están sujetos a empalme alternativo específico de tejido y regulado por el desarrollo. Activa específicamente la inclusión del exón 5 de las isoformas cardíacas de TNNT2 durante la remodelación cardíaca en la transición juvenil a adulta. Actúa como activador y represor de un par de exones coregulados: promueve la inclusión del exón del músculo liso (SM) pero la exclusión del exón no muscular (NM) en los pre-ARNm de actinina. Activa la inclusión del exón 5 de SM antagonizando el efecto represor de PTB. Promueve la exclusión del exón 11 del pre-ARNm INSR. Aumenta la traducción y controla la elección del codón de iniciación de la traducción del ARNm de CEBPB. Aumenta la traducción del ARNm de CEBPB en el hígado envejecido (por similitud). Aumenta la traducción del ARNm de CDKN1A al antagonizar el efecto represor de CALR3. Media la deadenilación rápida del ARNm citoplasmático. Recluta la deadenilasa PARN a la cola de poli(A) de los ARNm que contienen EDEN para promover su deadenilación. Requerido para completar la espermatogénesis (por similitud). Se une a las repeticiones del triplete (CUG)_n en el 3'-UTR de transcripciones como DMPK y a los elementos de respuesta de Bruno (BRE). Se une a los sitios intrónicos del potenciador de empalme específico del músculo (MSE) que flanquean el exón alternativo 5 del pre-ARNm de TNNT2. Se une a secuencias ricas en AU (ARE o similares a EDEN) localizadas en el 3'-UTR de los ARNm de JUN y FOS. Se une a la región 5' de los ARNm de CDKN1A y CEBPB. Se une a la región 5' del ARNm de CEBPB en el hígado envejecido. PTM: Fosforilado. Su estado de fosforilación aumenta en células senescentes. Similitud: Pertenece a la familia CELF/BRUNOL. Similitud: Contiene 3 dominios RRM (motivos de reconocimiento de ARN). Ubicación subcelular: La actividad de unión al ARN se detecta tanto en el compartimento nuclear como en el citoplasmático. Subunidad: Componente de un complejo EIF2 compuesto al menos por CUGBP1, CALR, CALR3, EIF2S1, EIF2S2, HSP90B1 y HSPA5. Se asocia con polisomas (por similitud). Interactúa con PARN. Especificidad tisular: Ubicuo.

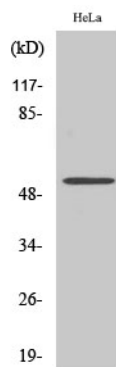
Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células HeLa y HepG2, utilizando el anticuerpo CELF-1. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal CUG-BP1 diluido a 1:500