

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo escindido-SUMO-2/3 (G93)**Nº de Catálogo: APRab09030**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA,IP
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000,IP 1:50-1:100
Peso Molecular	11kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	SUMO2 SUMO3
Nombres Alternativos	SUMO2; SMT3A; SMT3H2; Small ubiquitin-related modifier 2; SUMO-2; HSMT3; SMT3 homolog 2; SUMO-3; Sentrin-2; Ubiquitin-like protein SMT3A; Smt3A
ID del Gen	6613.0
ID SwissProt	P61956/P55854
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del SUMO2/3 humano. Rango de AA: 44-93.

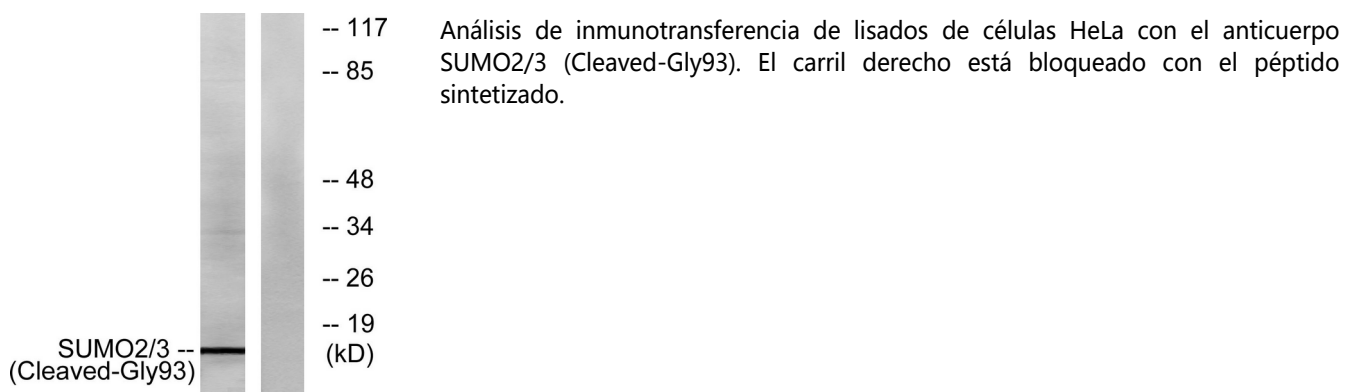
Antecedentes

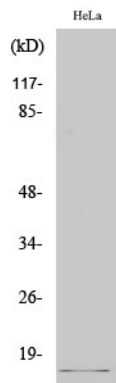
Este gen codifica una proteína perteneciente a la familia de proteínas SUMO (modificadores pequeños similares a la ubiquitina). Funciona de forma similar a la ubiquitina, ya que se une a proteínas diana como parte de un sistema de modificación postraduccional. Sin embargo, a diferencia de la ubiquitina, que se dirige a proteínas para su degradación, esta proteína participa en diversos procesos celulares, como el transporte nuclear, la regulación transcripcional, la apoptosis y la estabilidad proteica. No se activa hasta que se han escindido los dos últimos aminoácidos del extremo carboxilo terminal. Se han descrito numerosos pseudogenes para este gen. Se han caracterizado variantes alternativas de empalme transcripcional que codifican diferentes isoformas. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], función: Proteína similar a la ubiquitina que puede unirse covalentemente a lisinas diana como monómero o como polímero unido a lisina. No parece estar implicada en la degradación de proteínas y podría actuar como antagonista de la ubiquitina en dicho proceso. Participa en diversos procesos celulares, como el transporte nuclear, la replicación y reparación del ADN, la mitosis y la transducción de señales. La unión covalente a sus sustratos requiere la activación previa del complejo E1 SAE1-SAE2 y la unión a la enzima E2 UBE2I, y puede ser promovida por una ligasa E3 como PIAS1-4, RANBP2 o CBX4. Información en línea: Entrada a la proteína SUMO. PTM: La escisión de la forma precursora por SENP1 o SENP2 es necesaria para su función. PTM: La escisión de la forma precursora por SENP1, SENP2 o SENP5 es necesaria para su función. PTM: Las cadenas poliméricas se pueden formar mediante el entrecruzamiento de Lys-11. Similitud: Pertenece a la familia de las ubiquitinas. Subfamilia SUMO. Similitud: Contiene un dominio similar a la ubiquitina. Ubicación subcelular: Cuerpos nucleares. Subunidad: Homotrímero (Potencial). El análisis del empaquetamiento cristalino sugiere un posible ensamblaje trimérico, cuya significancia biológica aún está por determinar. Interactúa con SAE2 y UBE2I. Se une covalentemente a varias proteínas. Interactúa con PELP1. Subunidad: Interactúa con SAE2 y UBE2I. Se une covalentemente a varias proteínas. Especificidad tisular: Ampliamente expresada. Especificidad tisular: Se expresa predominantemente en el hígado.

Área de Investigación

Biología celular

Datos de Imagen





Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Cleaved-SUMO-2/3 (G93)