

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo HC de catepsina C escindida (R394)**Nº de Catálogo: APRab08973**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	27kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CTSC
Nombres Alternativos	CTSC; CPPI; Dipeptidyl peptidase 1; Cathepsin C; Cathepsin J; Dipeptidyl peptidase I; DPP-I; DPPI; Dipeptidyl transferase
ID del Gen	1075.0
ID SwissProt	P53634
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la dipeptidil-peptidasa 1 humana. Rango de AA: 345-394

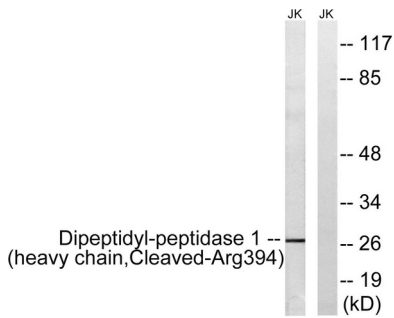
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de las peptidasas C1 y cisteína proteínasa lisosomal que parece ser un coordinador central para la activación de muchas serina proteinasas en células del sistema inmunitario. El empalme alternativo da lugar a múltiples variantes de transcripción, al menos una de las cuales codifica una preproteína que se procesa proteolíticamente para generar cadenas pesadas y ligeras que forman un dímero con enlaces disulfuro. Una porción del propéptido actúa como chaperona intramolecular para el plegamiento y la estabilización de la enzima madura. Esta enzima requiere iones de cloruro para su actividad y puede degradar el glucagón. Se ha demostrado que los defectos en la proteína codificada son una causa del síndrome de Papillon-Lefevre, un trastorno autosómico recesivo caracterizado por queratosis palmoplantar y periodontitis. [Proporcionado por RefSeq, nov. de 2015], actividad catalítica: liberación de un dipéptido N-terminal, Xaa-Yaa-|-Zaa-, excepto cuando Xaa es Arg o Lys, o Yaa o Zaa es Pro., cofactor: se une a un ion cloruro por cadena pesada., enfermedad: los defectos en el CTSC son causa del síndrome de Haim-Munk (SMH) [MIM:245010]; también conocido como queratosis palmoplantar con periodontopatía y onicogriposis o trastorno judío de Cochín. El SMH es un trastorno autosómico recesivo que se caracteriza por queratosis palmoplantar, onicogriposis y periodontitis. Otras características son pie plano, aracnodactilia y acroosteólisis., enfermedad: los defectos en el CTSC son causa de periodontitis juvenil (DJP) [MIM:170650]; También conocida como periodontitis prepuberal (PPP). La JPD se caracteriza por infecciones gingivales graves y prolongadas que provocan la pérdida dentaria. Su herencia es autosómica dominante. Enfermedad: Los defectos en el CTSC son causa del síndrome de Papillon-Lefevre (PLS) [MIM:245000], también conocido como queratosis palmoplantar con periodontopatía. La PLS es un trastorno autosómico recesivo que se caracteriza por queratosis palmoplantar y periodontitis grave que afecta tanto a la dentición temporal como a la permanente, provocando la pérdida prematura dentaria. El fenotipo queratósico palmoplantar varía desde una piel escamosa psoriasiforme leve hasta una hiperqueratosis manifiesta. La queratosis también afecta otras zonas, como codos y rodillas. Regulación enzimática: Fuertemente inhibida por los inhibidores de la cisteína peptidasa, ácido mersalílico, ácido yodoacético y cistatina. Inhibida por N-etilmaleimida, Gly-Phe-diazometano, TLCK, TPCK y, a bajo pH, por ditiodipiridina. No inhibida por el inhibidor de la serina peptidasa PMSF, el inhibidor de la aminopeptidasa bestatina ni por quelantes de iones metálicos. Función: Tíol proteasa. Presenta actividad dipeptidilpeptidasa. Es activa frente a una amplia gama de sustratos dipeptídicos compuestos por aminoácidos polares e hidrofóbicos. La prolina no puede ocupar la posición P1 del sustrato y la arginina no puede ocupar la posición P2. Puede actuar como exopeptidasa y endopeptidasa. Activa serina proteasas como la elastasa, la catépsina G y las granzimas A y B. También puede activar la neuraminidasa y el factor XIII. Inducción: Regulado positivamente en linfocitos por IL-2. Información en línea: Mutación CTSC db. PTM: En aproximadamente el 50 % de los complejos, el dominio de exclusión se escinde en la posición 58 o 61. Las dos partes del dominio de exclusión se mantienen unidas por un enlace disulfuro. PTM: N-glicosilado. Similitud: Pertenece a la familia de las peptidasas C1. Subunidad: Tetrámero de heterotrímeros compuesto por el dominio de exclusión, cadenas pesadas y ligeras. Especificidad tisular: Ubicuo. Altamente expresado en pulmón, riñón y placenta. Detectado en niveles intermedios en colon, intestino delgado, bazo y páncreas.

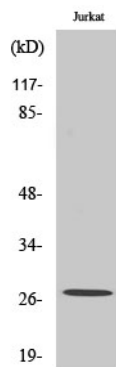
Área de Investigación

Lisosoma;

Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat, tratados con etopósido 25 μ M durante 1 h, utilizando el anticuerpo dipeptidil-peptidasa 1 (cadena pesada, escindida por Arg394). El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal HC (R394) de catepsina C escindida