

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CHD8**Nº de Catálogo: APRab08750**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS conteniendo 50% de glicerol, y 0,02% de conservante nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:50-1:300, ICC/IF 1:50-1:200
Peso Molecular	283kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CHD8
Nombres Alternativos	HELSNF1 KIAA1564
ID del Gen	57680.0
ID SwissProt	Q9HCK8
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de una región parcial de la proteína humana

Antecedentes

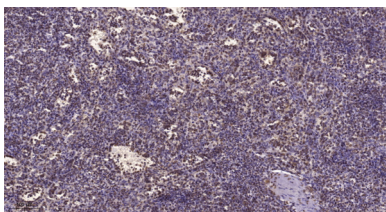
Este gen codifica una helicasa de ADN que funciona como represor de la transcripción remodelando la estructura de la cromatina. Se une a la beta-catenina y regula negativamente la vía de señalización de Wnt, la cual desempeña un papel

fundamental en el desarrollo temprano y la morfogénesis de los vertebrados. Los ratones que carecen de este gen presentan muerte embrionaria temprana. Se han encontrado variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican diferentes isoformas para este gen. [proporcionado por RefSeq, mayo de 2010], función: helicasa de ADN que actúa como factor de remodelación de la cromatina y regula la transcripción. Actúa como represor de la transcripción remodelando la estructura de la cromatina y reclutando la histona H1 a los genes diana. Suprime la apoptosis mediada por p53/TP53 reclutando la histona H1 e impidiendo la transactivación de p53/TP53. Actúa como regulador negativo de la vía de señalización de Wnt regulando la actividad de la beta-catenina (CTNNB1). Regula negativamente la expresión génica dirigida por CTNNB1 al ser reclutado específicamente a las regiones promotoras de varios genes sensibles a CTNNB1. Participa tanto en el bloqueo de potenciadores como en la remodelación epigenética en el límite de la cromatina mediante su interacción con CTCF. Actúa como supresor de la actividad de STAT3 al suprimir la actividad transcripcional de STAT3 inducida por LIF. También actúa como activador de la transcripción mediante su interacción con ZNF143, participando en la transcripción eficiente de la ARN polimerasa III U6. Información adicional: Su gen se encuentra en la región 14q11.2 del genoma, la cual se asocia con retraso del desarrollo, deterioro cognitivo y anomalías menores similares en algunos niños, lo que sugiere que podría ser un buen candidato para el fenotipo. PTM: Sumoilado. Similitud: Pertenece a la familia de helicasas SNF2/RAD54. Subfamilia CHD8. Similitud: Contiene un dominio de unión a ATP de la helicasa. Similitud: Contiene un dominio C-terminal de la helicasa. Similitud: Contiene dos dominios cromosómicos. Ubicación subcelular: Se localiza en las regiones promotoras de varios genes sensibles a CTNNB1. También está presente en sitios diana conocidos de CTCF. Subunidad: Interactúa con p53/TP53, histona H1, CTNNB1, CTCF y PIAS3. Componente de un complejo multiproteico de 900 kDa que contiene WDR5.

Área de Investigación

CÉLULA WNT;CÉLULA WNT-T

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de bazo humano incluido en parafina. 1. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9.0 para la recuperación del antígeno. 2. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4 °C durante la noche). 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 45 min).