

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CD59**Nº de Catálogo: APRab08423**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	16kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CD59
Nombres Alternativos	CD59; MIC11; MIN1; MIN2; MIN3; MSK21; CD59 glycoprotein; 1F5 antigen; 20 kDa homologous restriction factor; HRF-20; HRF20; MAC-inhibitory protein; MAC-IP;MEM43 antigen; Membrane attack complex inhibition factor; MACIF; Membrane inhibitor of reactive lysis; MIRL; Protectin; CD59
ID del Gen	966.0
ID SwissProt	P13987
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la región interna del

CD59 humano. Rango de AA: 51-100.

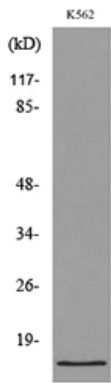
Antecedentes

Este gen codifica una glucoproteína de la superficie celular que regula la lisis celular mediada por el complemento y participa en la transducción de señales de los linfocitos. Esta proteína es un potente inhibidor del complejo de ataque a la membrana del complemento, uniéndose a C8 y/o C9 del complemento durante el ensamblaje de este complejo, inhibiendo así la incorporación de múltiples copias de C9 al complejo, necesaria para la formación de poros osmóticos. Esta proteína también participa en las vías de transducción de señales para la activación de los linfocitos T. Las mutaciones en este gen causan deficiencia de CD59, una enfermedad que provoca anemia hemolítica y trombosis, y que a su vez causa infarto cerebral. Se han identificado múltiples variantes de transcripción con empalme alternativo, que codifican la misma proteína, para este gen. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], enfermedad: Los defectos en CD59 son la causa de la deficiencia de CD59 [MIM:612300]., función: Potente inhibidor de la acción del complejo de ataque a la membrana del complemento (MAC). Actúa uniéndose a los complementos C8 y/o C9 del MAC en ensamblaje, impidiendo así la incorporación de las múltiples copias de C9 necesarias para la formación completa del poro osmótico. Este inhibidor parece ser específico de la especie. Participa en la transducción de señales para la activación de linfocitos T, formando un complejo con una proteína tirosina quinasa. Función: La forma soluble de la orina conserva su actividad específica de unión al complemento, pero muestra una capacidad muy reducida para inhibir el ensamblaje del MAC en las membranas celulares. Información en línea: Mutación CD59 db. PTM: Glicado. La glicosilación se encuentra en sujetos diabéticos, pero solo en niveles mínimos en sujetos no diabéticos. El CD59 glicosilado carece de función inhibidora del MAC y contribuye a las complicaciones vasculares de la diabetes. PTM: N- y O-glicosilado. La N-glicosilación consiste principalmente en una familia de estructuras de tipo complejo biantenarico con y sin extensiones de lactosamina y residuos de fucosa en el brazo externo. También se presentan cantidades significativas de complejos triantenarios (22%). La sialilación variable también está presente en el oligosacárido Asn-43. Los O-glicanos predominantes son formas monosialiladas del disacárido Gal-beta-1,3-GalNAc, y sus sitios de unión probablemente se encuentran en Thr-76 y Thr-77. El anclaje GPI del CD59 urinario soluble no presenta fosfolípidos asociados al inositol, sino que está compuesto por siete variantes diferentes de anclaje GPI de una o más unidades de monosacáridos. Las variantes principales contienen ácido siálico, manosa y glucosamina. El ácido siálico unido a un brazo de N-acetilhexosamina-galactosa está presente en dos variantes. Similitud: Contiene un dominio UPAR/Ly6. Ubicación subcelular: Forma soluble presente en diversos tejidos. Subunidad: Interactúa con el antígeno de superficie de linfocitos T CD2.

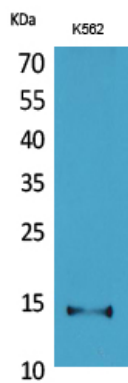
Área de Investigación

Cascadas de complemento y coagulación; linaje de células hematopoyéticas;

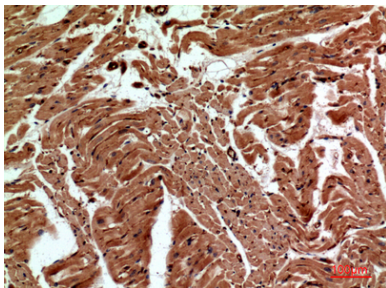
Datos de Imagen



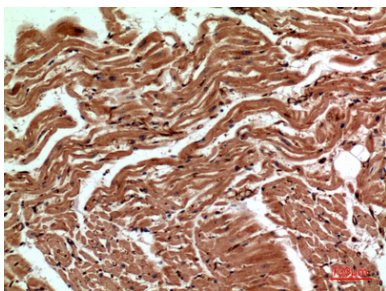
Análisis de transferencia Western del lisado de células K562, utilizando el anticuerpo CD59.



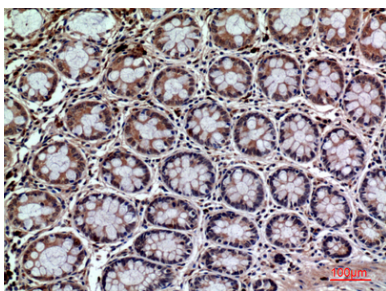
Análisis Western Blot de células K562 usando anticuerpo policlonal CD59. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.



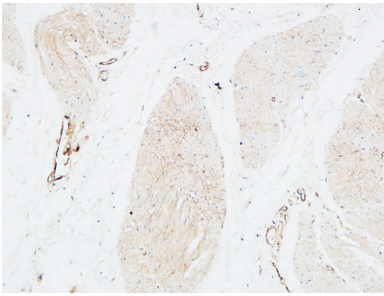
Análisis inmunohistoquímico de corazón humano incluido en parafina, el anticuerpo se diluyó a 1:100



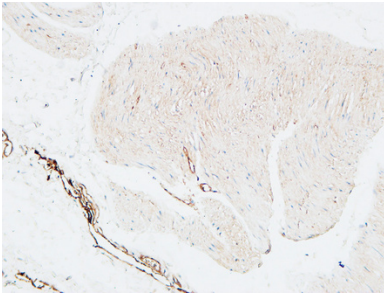
Análisis inmunohistoquímico de corazón humano incluido en parafina, el anticuerpo se diluyó a 1:100



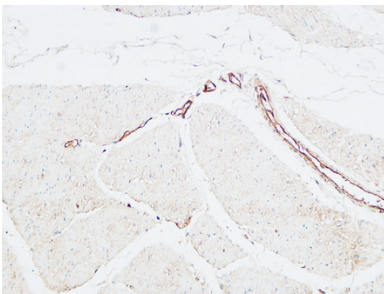
Análisis inmunohistoquímico de colon humano incluido en parafina, el anticuerpo se diluyó a 1:100



Análisis inmunohistoquímico de vejiga humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4°, durante la noche). 2. Se utilizó EDTA de alta presión y temperatura, pH 8,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min).



Análisis inmunohistoquímico de vejiga humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4°, durante la noche). 2. Se utilizó EDTA de alta presión y temperatura, pH 8,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min).



Análisis inmunohistoquímico de vejiga humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4°, durante la noche). 2. Se utilizó EDTA de alta presión y temperatura, pH 8,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min).