

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CD3EAP****Nº de Catálogo: APRab08382**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Rata, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
<b>Peso Molecular</b>	55kDa

**Información del Antígeno**

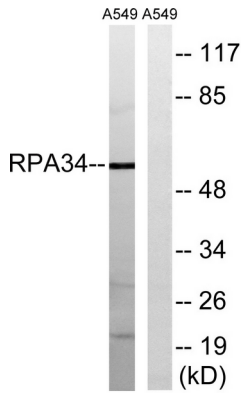
<b>Nombre del Gen</b>	CD3EAP CD3EAP; ASE1; CAST; PAF49; DNA-directed RNA polymerase I subunit RPA34; A34.5;
<b>Nombres Alternativos</b>	Antisense to ERCC-1 protein; ASE-1; CD3-epsilon-associated protein; CAST; CD3E-associated protein; RNA polymerase I-associated factor PAF49
<b>ID del Gen</b>	10849.0
<b>ID SwissProt</b>	O15446
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del CD3EAP humano. Rango de AA: 441-490.

## Antecedentes

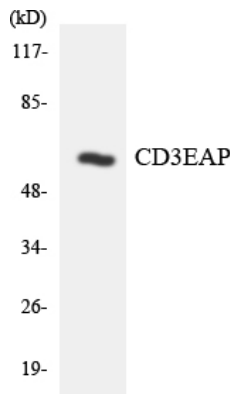
Precaución: Se desconoce si las proteínas ASE1 y CAST humanas representan dos caras de un mismo producto génico con características funcionales marcadamente diferentes. Experimentos realizados con la proteína homóloga murina sugieren la implicación de este gen en la transcripción del ARNr en lugar de la señalización del receptor de linfocitos T. Función: La ARN polimerasa dependiente de ADN cataliza la transcripción de ADN a ARN utilizando los cuatro ribonucleósidos trifosfato como sustratos. Componente de la ARN polimerasa I que sintetiza precursores de ARN ribosómico. La isoforma 1 participa en la transcripción activada por UBTF, presumiblemente en un paso posterior a la formación de PIC. Función: La isoforma 2 se ha descrito como un componente del complejo preformado del receptor de linfocitos T (TCR). Información adicional: Presenta una orientación antisentido y se superpone al gen de la enzima reparadora del ADN ERCC1. Esta superposición génica se conserva en ratones, lo que sugiere una importante función biológica. PTM: La isoforma 1 se fosforila en residuos de tirosina en complejos Pol I-beta con capacidad de iniciación, pero no en complejos Pol I-alfa. PTM: La isoforma 2 sufre fosforilación de tirosina tras la estimulación del receptor de células T (TCR). Esta fosforilación no ha sido confirmada por otros grupos. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la familia de subunidades de la ARN polimerasa eucariota RPA34. Ubicación subcelular: Se encuentra en los centros fibrilares del nucléolo en interfase y, durante la división celular, se localiza en las regiones organizadoras del nucléolo de los cromosomas. Subunidad: Componente del complejo de la ARN polimerasa I (Pol I) que consta de al menos 13 subunidades. Interactúa con TAF1A, por lo que se asocia con el complejo SL1. Interactúa con UBTF. Interactúa con POLR1E/PRAF1 a través de su región N-terminal (por similitud). La isoforma 2 interactúa con CD3E. Precaución: Se desconoce si las proteínas humanas ASE1 y CAST representan dos caras de un mismo producto génico con características funcionales marcadamente diferentes. Experimentos realizados con la proteína homóloga murina sugieren la implicación de este gen en la transcripción del ARNr en lugar de la señalización del receptor de linfocitos T. Función: La ARN polimerasa dependiente de ADN cataliza la transcripción de ADN a ARN utilizando los cuatro ribonucleósidos trifosfato como sustratos. Componente de la ARN polimerasa I que sintetiza precursores de ARN ribosómico. La isoforma 1 participa en la transcripción activada por UBTF, presumiblemente en un paso posterior a la formación de PIC. Función: La isoforma 2 se ha descrito como un componente del complejo preformado del receptor de células T (TCR). Otros: Presenta una orientación antisentido y se superpone al gen de la enzima reparadora del ADN ERCC1. Esta superposición génica se conserva en ratones, lo que sugiere una importante función biológica. PTM: La isoforma 1 se fosforila en residuos de tirosina en complejos Pol I-beta con capacidad de iniciación, pero no en complejos Pol I-alfa. PTM: La isoforma 2 experimenta fosforilación de tirosina tras la estimulación del receptor de células T (TCR). Esta fosforilación no ha sido confirmada por otro grupo. PTM: Se fosforila tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR. Similitud: Pertenece a la familia de subunidades eucariotas RPA34 de la ARN polimerasa. Ubicación subcelular: Se encuentra en los centros fibrilares del nucléolo en interfase y, durante la división celular, se localiza en las regiones organizadoras del nucléolo de los cromosomas. Subunidad: Componente del complejo de la ARN polimerasa I (Pol I), compuesto por al menos 13 subunidades. Interactúa con TAF1A, asociándose así al complejo SL1. Interactúa con UBTF. Interactúa con POLR1E/PRAF1 a través de su región N-terminal (por similitud). La isoforma 2 interactúa con CD3E.

## Área de Investigación

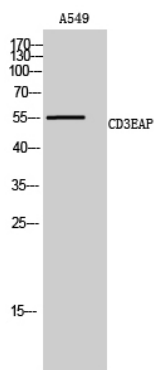
## Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células A549, utilizando el anticuerpo CD3EAP. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HUVEC utilizando el anticuerpo CD3EAP.



Análisis Western Blot de células A549 usando el anticuerpo policlonal CD3EAP.