

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CD299**Nº de Catálogo: APRab08332**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:50-1:200,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	60kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CLEC4M CD209L CD209L1 CD299
Nombres Alternativos	C-type lectin domain family 4 member M (CD209 antigen-like protein 1;DC-SIGN-related protein;DC-SIGNR;Dendritic cell-specific ICAM-3-grabbing non-integrin 2;DC-SIGN2;Liver/lymph node-specific ICAM-3-grabbing non-integrin;L-SIGN;CD antigen CD299)
ID del Gen	10332.0
ID SwissProt	Q9H2X3
Inmunógeno	Péptido sintético de proteína humana en rango AA: 271-320

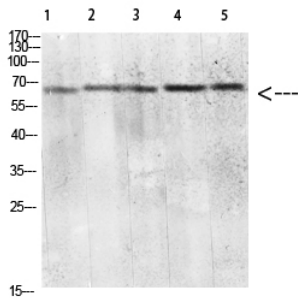
Antecedentes

Este gen codifica un receptor transmembrana y se le suele denominar L-SIGN debido a su expresión en las células endoteliales de los ganglios linfáticos y el hígado. La proteína codificada participa en el sistema inmunitario innato y reconoce numerosos patógenos evolutivamente divergentes, desde parásitos hasta virus, con un gran impacto en la salud pública. La proteína se organiza en tres dominios distintos: un dominio transmembrana N-terminal, un dominio de cuello con repeticiones en tándem y un dominio de reconocimiento de carbohidratos de lectina de tipo C. La región extracelular, compuesta por la lectina de tipo C y los dominios de cuello, cumple una doble función como receptor de reconocimiento de patógenos y receptor de adhesión celular, mediante la unión de ligandos de carbohidratos en la superficie de microbios y células endógenas. La región del cuello es importante para la homooligomerización, que permite al receptor unirse a ligandos multivalentes con alta avidéz. Variaciones/productos alternativos: Parecen existir isoformas adicionales. Varios eventos de empalme pueden ocurrir de forma independiente y modular. La delección del dominio transmembrana que codifica el exón mediante empalme alternativo produce isoformas solubles. Dominio: El dominio de repetición en tándem, también llamado dominio de cuello, media la oligomerización. Función: Probable receptor de reconocimiento de patógenos, involucrado en la vigilancia inmunitaria periférica en el hígado. Puede mediar la endocitosis de patógenos que posteriormente se degradan en compartimentos lisosomales. Probablemente reconoce, de forma dependiente del calcio, oligosacáridos N-ligados con alto contenido de manosa en diversos antígenos patógenos, incluyendo la gp120 del VIH-1, la gp120 del VIH-2, la gp120 del VIS, las glucoproteínas del virus del Ébola, la E2 del VHC y la proteína S del coronavirus del SARS humano. Es un receptor para ICAM3, probablemente mediante la unión a carbohidratos similares a la manosa. Se presume que es un correceptor del coronavirus del SARS. Información miscelánea: In vitro, es un receptor del VIH-1 y lo transmite a linfocitos T permisivos. Información en línea: DC-SIGNR. Polimorfismo: Se ha demostrado que el número de repeticiones en el dominio de repetición en tándem varía entre 3 y 9 por alelo, lo que contribuye a una mayor variabilidad, además del splicing alternativo. La forma con 7 repeticiones mostrada ha demostrado ser la más frecuente (53,9 %) en un estudio con 350 individuos caucásicos. Similitud: Contiene un dominio de lectina de tipo C. Subunidad: Homotetrámero. Se une a numerosas glucoproteínas de superficie viral, como la gp120 del VIH-1, la gp120 del VIH-2, la gp120 del VIS, las glucoproteínas del virus del Ébola, la E2 del VHC y la proteína S del coronavirus del SARS humano. Especificidad tisular: Se expresa predominantemente en las células endoteliales sinusoidales del hígado y en los ganglios linfáticos. Se encuentra en el endotelio placentario, pero no en los macrófagos. Se expresa en las células alveolares tipo II y en las células endoteliales pulmonares.

Área de Investigación

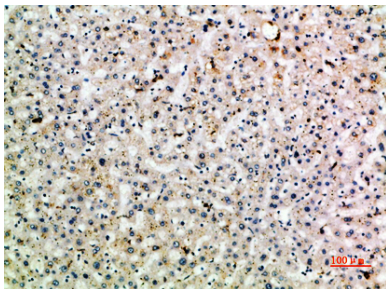
-

Datos de Imagen



1, mouse-lung 2, mouse-heart
3, 293T 4, Hela 5, 3T3

Análisis de transferencia Western de lisado de pulmón de ratón, el anticuerpo se diluyó a 2000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.



Análisis inmunohistoquímico de hígado humano incluido en parafina, el anticuerpo se diluyó a 1:200