

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CCR5**Nº de Catálogo: APRab08159**

Solo para uso en investigación.

Resumen

| | |
|-----------------------|--|
| Descripción | Anticuerpo policlonal de conejo |
| Huésped | Conejo |
| Aplicación | WB,ELISA |
| Reactividad | Humano, Ratón, Rata |
| Conjugación | No conjugado |
| Modificación | Sin modificar |
| Isotipo | IgG |
| Clonalidad | Policlonal |
| Formato | Líquido |
| Concentración | 1 mg/ml |
| Almacenamiento | Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación. |
| Envío | Bolsas de hielo |
| Tampon | Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N. |
| Purificación | Purificación por afinidad |

Aplicación

| | |
|-----------------------------|---------------------------------------|
| Relación de Dilución | WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000 |
| Peso Molecular | 40kDa |

Información del Antígeno

| | |
|-----------------------------|--|
| Nombre del Gen | CCR5 CMKBR5 |
| Nombres Alternativos | C-C chemokine receptor type 5 (C-C CKR-5) (CC-CKR-5) (CCR-5) (CCR5) (CHEMR13) (HIV-1 fusion coreceptor) (CD antigen CD195) |
| ID del Gen | 1234.0 |
| ID SwissProt | P51681 |
| Inmunógeno | Péptido sintetizado derivado del CCR5 humano Policlonal |

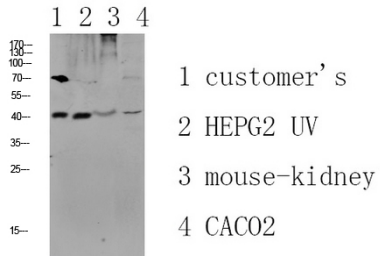
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de receptores de quimiocinas beta, que se predice que es una proteína transmembrana de siete similares a los receptores acoplados a proteína G. Esta proteína es expresada por células T y macrófagos, y se sabe que es un correceptor importante para que los virus macrófago-trópicos, incluido el VIH, entren en las células huésped. Los alelos defectuosos de este gen se han asociado con la resistencia a la infección por VIH. Los ligandos de este receptor incluyen la proteína quimioatrayente de monocitos 2 (MCP-2), la proteína inflamatoria de macrófagos 1 alfa (MIP-1 alfa), la proteína inflamatoria de macrófagos 1 beta (MIP-1 beta) y la proteína regulada por activación normal expresada y secretada (RANTES). La expresión de este gen también se detectó en una línea celular promieloblástica, lo que sugiere que esta proteína puede desempeñar un papel en la proliferación y diferenciación del linaje de granulocitos. Este gen se encuentra en la quimiocina. Enfermedad: La variación genética en CCR5 se asocia con la susceptibilidad a la diabetes mellitus insulino dependiente tipo 2 (IDDM2) [MIM:612522]. La IDDM es causada por el propio sistema inmunitario, que destruye las células beta productoras de insulina en el páncreas. Las características clásicas son polidipsia, polifagia y poliuria, debido a la diuresis osmótica inducida por la hiperglucemia. Función: Receptor de diversas quimiocinas CC inflamatorias, como MIP-1-alfa, MIP-1-beta y RANTES, y posteriormente transduce una señal aumentando el nivel intracelular de iones de calcio. Puede desempeñar un papel en el control de la proliferación o diferenciación del linaje granulocítico. Actúa como un correceptor (siendo CD4 el receptor primario) para los aislados R5 del VIH-1., información en línea: entrada de receptores de quimiocinas CC, información en línea: entrada del receptor CCR5, polimorfismo: la variante Ser-60, una mutación que ocurre de forma natural en un residuo conservado en el primer dominio intracelular de CCR5, da como resultado cantidades reducidas de la proteína en la membrana y, en consecuencia, puede estar asociada con una susceptibilidad reducida a la infección por microbios que dependen de estas moléculas como sus receptores., polimorfismo: las variaciones en CCR5 están asociadas con la resistencia o susceptibilidad al virus de inmunodeficiencia tipo 1 (resistencia o susceptibilidad al VIH-1) [MIM: 609423]. Las variaciones en el gen CCR5 también influyen en la tasa de progresión al SIDA después de la infección., polimorfismo: Las variaciones en CCR5 se asocian con la susceptibilidad a la infección por el virus del Nilo Occidental (VNO) [MIM: 610379]., PTM: O-glicosilado, pero no N-glicosilado. Ser-6 parece ser el sitio principal. También hay glicanos sialilados presentes que contribuyen a la unión de quimiocinas. Thr-16 y Ser-17 también pueden estar glicosilados y, de ser así, con pequeñas fracciones como un antígeno T., PTM: La palmitoilación en el C-terminal es importante para la expresión en la superficie celular y, en menor medida, para la entrada del VIH., PTM: La fosforilación en los residuos de serina en el C-terminal es estimulada por la unión de quimiocinas CC, especialmente por APO-RANTES., PTM: Sulfatado en al menos 2 de las tirosinas N-terminales. La sulfatación contribuye a la eficiencia de la entrada del VIH-1 y es necesaria para la unión eficiente de las quimiocinas CCL3 y CCL4. Similitud: Pertenece a la familia del receptor acoplado a proteína G 1. Subunidad: Interactúa con PRAF2. Interactúa con la proteína de superficie del VIH-1 gp120. La unión eficiente del ligando a CCL3/MIP-1 α y CCR4/MIP-1 β requiere sulfatación, O-glicosilación y modificaciones con ácido siálico. La glicosilación en Ser-6 es necesaria para la unión eficiente de CCL4. Interactúa con ADRBK1. Especificidad tisular: Altamente expresado en el bazo, el timo, en la línea celular mielóide THP-1, en la línea celular promieloblástica KG-1A y en linfocitos T CD4+ y CD8+. Niveles medios en leucocitos de sangre periférica y en el intestino delgado. Niveles bajos en ovario y pulmón.

Área de Investigación

Interacción citocina-receptor de citocina; Quimiocina; Endocitosis;

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de varios lisados, el anticuerpo se diluyó a 1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.