
Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo catepsina E**Nº de Catálogo: APRab08017**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	48kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	CTSE
Nombres Alternativos	CTSE; Cathepsin E
ID del Gen	1510.0
ID SwissProt	P14091
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la catepsina E humana. Rango de AA: 243-292

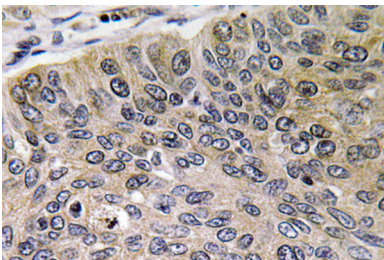
Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia A1 de peptidasas. El empalme alternativo de este gen da lugar a múltiples variantes de transcripción. Al menos una de estas variantes codifica una preproteína que se procesa proteolíticamente para generar la enzima madura. Esta enzima, una endopeptidasa aspártica, podría estar implicada en el procesamiento de antígenos y la maduración de proteínas secretoras. Se ha observado una expresión elevada de este gen en la neurodegeneración. [proporcionado por RefSeq, noviembre de 2015], actividad catalítica: similar a la catepsina D, pero con una especificidad ligeramente mayor., función: podría desempeñar un papel en la función inmunitaria. Probablemente implicado en el procesamiento de péptidos antigénicos durante la presentación de antígenos mediada por el MHC de clase II. Podría desempeñar un papel en la depleción linfocítica inducida por activación en el timo, y en la degeneración neuronal y la activación de células gliales en el cerebro., PTM: glucosilado. La naturaleza de la cadena de carbohidratos varía entre los tipos celulares. En los fibroblastos, la proenzima contiene un oligosacárido rico en manosa, mientras que la enzima madura contiene un oligosacárido complejo. En las membranas de los eritrocitos, tanto la proenzima como la enzima madura contienen un oligosacárido complejo. PTM: Se producen dos formas por escisión autocatalítica: la forma I comienza en Ile-54 y la forma II en Thr-57. Similitud: Pertenece a la familia de las peptidasas A1. Ubicación subcelular: La proenzima se localiza en el retículo endoplasmático y el aparato de Golgi, mientras que la enzima madura se localiza en el endosoma. Subunidad: Homodímero; unido por enlaces disulfuro. Especificidad tisular: Se expresa abundantemente en el estómago, las células Clara del pulmón y los linfocitos B activados, y en niveles más bajos en los ganglios linfáticos, la piel y el bazo. No se expresa en los linfocitos B en reposo.

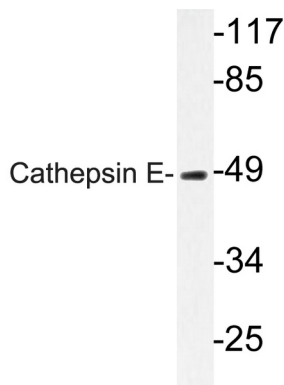
Área de Investigación

Lisosoma;

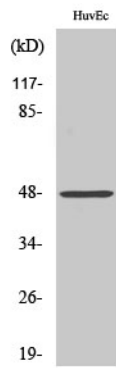
Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico del anticuerpo catepsina E en tejido de carcinoma pulmonar humano incluido en parafina.



Análisis de transferencia Western del lisado de células HUVEC, utilizando el anticuerpo catepsina E.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal catepsina E