

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo C1s**Nº de Catálogo: APRab07735**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	77kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	C1S
Nombres Alternativos	C1S; Complement C1s subcomponent; C1 esterase; Complement component 1 subcomponent s
ID del Gen	716.0
ID SwissProt	P09871
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del C1S humano. Rango de AA: 541-590.

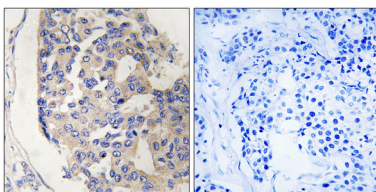
Antecedentes

Este gen codifica una serina proteasa, un componente principal del subcomponente C1 del complemento humano. C1s se asocia con otros dos componentes del complemento, C1r y C1q, para producir el primer componente del sistema del complemento sérico. Los defectos en este gen son la causa de la deficiencia selectiva de C1s. [Proporcionado por RefSeq, marzo de 2009], actividad catalítica: Escisión del enlace Arg-|-Ala en el componente C4 del complemento para formar C4a y C4b, y del enlace Lys(o Arg)-|-Lys en el componente C2 del complemento para formar C2a y C2b: la C3 convertasa de la vía «clásica», enfermedad: Los defectos en C1S son la causa de la deficiencia selectiva de C1s [MIM:120580]; que se asocia con la aparición temprana de múltiples enfermedades autoinmunes., regulación enzimática: inhibida por SERPING1., función: la cadena B de C1s es una serina proteasa que se combina con C1q y C1r para formar C1, el primer componente de la vía clásica del sistema del complemento. C1r activa C1s para que, a su vez, active C2 y C4. Información en línea: Base de datos de la mutación C1S. PTM: La 3-hidroxilación de aspartato y asparagina, dependiente de hierro y 2-oxoglutarato, es (R) estereoespecífica dentro de los dominios EGF. Similitud: Pertenece a la familia de las peptidasas S1. Similitud: Contiene un dominio similar a EGF. Similitud: Contiene un dominio de peptidasa S1. Similitud: Contiene dos dominios CUB. Similitud: Contiene dos dominios Sushi (CCP/SCR). Subunidad: C1 es un complejo trimolecular dependiente de calcio de C1q, C1r y C1s en una proporción molar de 1:2:2. C1s activado es un heterodímero con enlaces disulfuro de una cadena pesada y una cadena ligera.

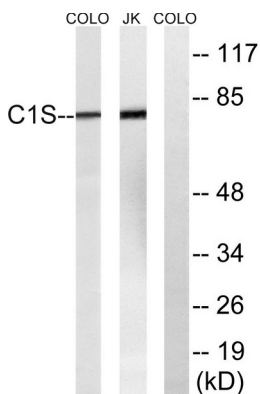
Área de Investigación

Cascadas de complemento y coagulación; Lupus eritematoso sistémico;

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma mamario humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo C1S. La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat y COLO, utilizando el anticuerpo C1S. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.