

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo BubR1****Nº de Catálogo: APRab07698**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	130kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	BUB1B BUB1B; BUBR1; MAD3L; SSK1; Mitotic checkpoint serine/threonine-protein kinase BUB1
<b>Nombres Alternativos</b>	beta; MAD3/BUB1-related protein kinase; hBUBR1; Mitotic checkpoint kinase MAD3L; Protein SSK1
<b>ID del Gen</b>	701.0
<b>ID SwissProt</b>	O60566
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de BUB1B humano. Rango de AA: 341-390.

## Antecedentes

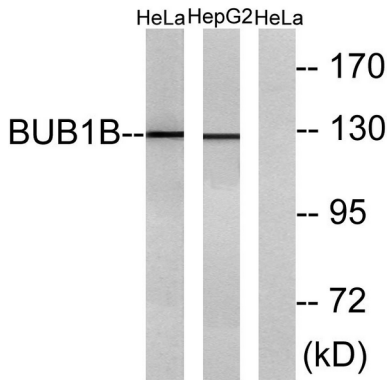
Este gen codifica una quinasa implicada en la función de los puntos de control del huso. La proteína se ha localizado en el cinetocoro y participa en la inhibición del complejo promotor de la anafase/ciclosoma (APC/C), retrasando el inicio de la anafase y asegurando una segregación cromosómica adecuada. Se ha detectado una función alterada de los puntos de control del huso en muchos tipos de cáncer. [proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: ATP + una proteína = ADP + una fosfoproteína., enfermedad: Los defectos en BUB1B se asocian con la formación de tumores., enfermedad: Los defectos en BUB1B son la causa del síndrome de aneuploidía variegada en mosaico (MVA) [MIM:257300]. El MVA es un trastorno autosómico recesivo grave del desarrollo que se caracteriza por aneuploidías en mosaico, predominantemente trisomías y monosomías, que afectan a múltiples cromosomas y tejidos diferentes. La proporción de células aneuploides varía, pero suele ser superior al 25% y sustancialmente mayor que en individuos normales. Los individuos afectados suelen presentar retraso grave del crecimiento intrauterino y microcefalia. También pueden presentarse anomalías oculares, dismorfia leve, retraso variable del desarrollo y un amplio espectro de anomalías congénitas y afecciones médicas adicionales. El riesgo de malignidad es alto; en varios casos se han reportado casos de rhabdomiocarcinoma, tumor de Wilms y leucemia. La MVA está causada por mutaciones bialélicas en el gen BUB1B., enfermedad: Los defectos en BUB1B son la causa del rasgo de separación prematura de las cromátidas (PCS) [MIM:176430]. El PCS consiste en cromátidas separadas y dispersas con centrómeros discernibles e involucra todos o la mayoría de los cromosomas de una metafase. Se encuentra en hasta el 2% de las metafases en linfocitos cultivados de aproximadamente el 40% de los individuos normales. Cuando el PCS está presente en el 5% o más de las células, se conoce como rasgo PCS heterocigoto y no tiene un efecto fenotípico evidente, aunque algunos han reportado una disminución de la fertilidad. La herencia es autosómica dominante. Dominio: El dominio CD1 dirige la localización del cinetocoro y su unión a BUB3. Dominio: La caja D dirige la proteína para su rápida degradación por proteólisis dependiente de ubiquitina durante la transición de la mitosis a la interfase. Regulación enzimática: Actividad quinasa estimulada por CENPE. Función: Componente esencial del punto de control mitótico. Requerido para la progresión normal de la mitosis. El punto de control mitótico retrasa la anafase hasta que todos los cromosomas están correctamente unidos al huso mitótico. Una de sus funciones como punto de control es inhibir la actividad del complejo/ciclosoma promotor de la anafase (APC/C) al bloquear la unión de CDC20 a APC/C, independientemente de su actividad quinasa. La otra es monitorear las actividades del cinetocoro que dependen del motor del cinetocoro CENPE. También está implicado en el desencadenamiento de la apoptosis en células poliploides que salen aberrantemente del arresto mitótico. Puede desempeñar un papel en la supresión tumoral., inducción: Inducida durante la mitosis., PTM: Autofosforilada in vitro. La autofosforilación intramolecular es estimulada por CENPE. Fosforilada durante la mitosis e hiperfosforilada en células con arresto mitótico., PTM: Escindida proteolíticamente por la caspasa-3 de una manera específica del ciclo celular. La escisión podría estar involucrada en la durabilidad del retraso del ciclo celular. La escisión de la caspasa-3 está asociada con la abrogación del punto de control mitótico. El principal sitio de escisión es en Asp-610., PTM: Ubiquitinada (Probable). Degradada por el proteasoma., similitud: Pertenece a la superfamilia de las proteínas quinasas. Familia de proteínas quinasas Ser/Thr. Subfamilia BUB1. Similitud: Contiene un dominio CD1. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Ubicación subcelular: Citoplasmática en células en interfase. Se asocia con los cinetocoros en la profase temprana. Subunidad: Interactúa con CENPE, CENPF, mitosina y BUB3. Forma parte de un complejo que contiene BUB3, CDC20 y BUB1B. Interactúa con el complejo promotor de anafase/ciclosoma (APC/C). Especificidad tisular:

Altamente expresada en el timo, seguido del bazo. Se expresa preferentemente en tejidos con un alto índice mitótico.

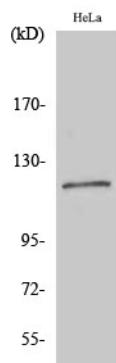
## Área de Investigación

Ciclo celular G1S; Ciclo celular G2M ADN;

## Datos de Imagen



Análisis de Western blot de lisados de células HeLa y HepG2, tratados con H<sub>2</sub>O<sub>2</sub> 100 μM 30', utilizando el anticuerpo BUB1B. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal BubR1