

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo BRCAA1**Nº de Catálogo: APRab07644**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	148kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ARID4B
Nombres Alternativos	ARID4B; BRCAA1; RBBP1L1; RBP1L1; SAP180; AT-rich interactive domain-containing protein 4B; ARID domain-containing protein 4B; 180 kDa Sin3-associated polypeptide; Sin3-associated polypeptide p180; Breast cancer-associated antigen BRCAA1; Hi
ID del Gen	51742.0
ID SwissProt	Q4LE39
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del gen BRCAA1 humano. Rango de AA: 761-810.

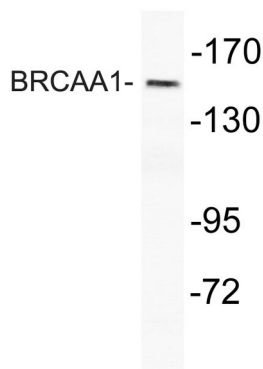
Antecedentes

Este gen codifica una proteína con una secuencia similar a la proteína de unión al retinoblastoma-1. Esta proteína codificada es una subunidad del complejo correpresor transcripcional SIN3A, dependiente de la histona desacetilasa, que participa en diversos procesos celulares, como la proliferación, la diferenciación, la apoptosis, la oncogénesis y la determinación del destino celular. El producto génico es reconocido por anticuerpos IgG aislados de una paciente con cáncer de mama y parece ser un marcador molecular asociado con una amplia gama de neoplasias malignas humanas. Se han caracterizado variantes alternativas de empalme transcripcional que codifican diferentes isoformas. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], dominio: El dominio ARID participa en la estabilización del complejo correpresor mSin3A en el ADN., dominio: El extremo C-terminal media la interacción con el complejo correpresor mSin3A., dominio: El extremo N-terminal participa en la represión transcripcional mediante mecanismos independientes de HDAC., función: Actúa como represor transcripcional. Puede participar en el ensamblaje y/o la actividad enzimática del complejo correpresor Sin3A o en la mediación de interacciones entre el complejo y otros complejos reguladores. Similitud: Contiene un dominio ARID. Ubicación subcelular: Citoplasmática en células de cáncer de mama. Subunidad: Componente de un complejo correpresor Sin3A compuesto por SIN3A, SAP130, SUDS3/SAP45, SAP180, HDAC1 y HDAC2. Especificidad tisular: Altamente expresado en testículos y cánceres de mama, pulmón, colon, páncreas y ovario. Se expresa en niveles bajos en timo, próstata y ovario.

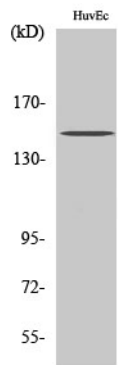
Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western del lisado de células HUVEC, utilizando el anticuerpo BRCAA1.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal BRCA1