

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo BAF53**Nº de Catálogo: APRab07431**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	47kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ACTL6A ACTL6A; BAF53; BAF53A; INO80K; Actin-like protein 6A; 53 kDa BRG1-associated factor
Nombres Alternativos	A; Actin-related protein Baf53a; ArpNbeta; BRG1-associated factor 53A; BAF53A; INO80 complex subunit K
ID del Gen	86.0
ID SwissProt	O96019
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del ACTL6A humano. Rango de AA: 201-250.

Antecedentes

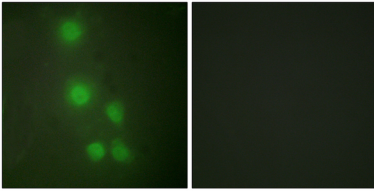
Este gen codifica un miembro de la familia de proteínas relacionadas con la actina (ARP), que comparten una identidad significativa en la secuencia de aminoácidos con las actinas convencionales. Tanto las actinas como las ARP tienen un pliegue de actina, que es una hendidura de unión al ATP, como característica común. Las ARP participan en diversos procesos celulares, como el transporte vesicular, la orientación del huso, la migración nuclear y la remodelación de la cromatina. Este gen codifica una proteína de la subunidad de 53 kDa del complejo BAF (factor asociado a BRG1/brm) en mamíferos, que está funcionalmente relacionada con el complejo SWI/SNF en *S. cerevisiae* y *Drosophila*; se cree que este último facilita la activación transcripcional de genes específicos al antagonizar la represión transcripcional mediada por la cromatina. Junto con la beta-actina, es necesaria para la actividad ATPasa máxima de BRG1 y para la asociación del complejo BAF con la cromatina/matriz. Tres variantes de transcripción que codifican dos funciones proteicas diferentes: Participa en la activación y represión transcripcional de genes selectos mediante la remodelación de la cromatina (alteración de la topología ADN-nucleosoma). Es necesaria para la actividad máxima de ATPasa de SMARCA4/BRG1 y para la asociación del complejo de remodelación BAF, que contiene SMARCA4/BRG1, con la cromatina/matriz nuclear. Es un componente del complejo NuA4 de la histona acetiltransferasa (HAT), que participa en la activación transcripcional de genes selectos, principalmente mediante la acetilación de las histonas nucleosomales H4 y H2A. Esta modificación puede alterar las interacciones nucleosoma-ADN y promover la interacción de las histonas modificadas con otras proteínas que regulan positivamente la transcripción. Este complejo puede ser necesario para la activación de programas transcripcionales asociados con la inducción del crecimiento mediada por oncogenes y protooncogenes, la detención del crecimiento mediada por supresores tumorales y la senescencia replicativa, la apoptosis y la reparación del ADN. NuA4 también puede desempeñar un papel directo en la reparación del ADN cuando se recluta en sitios de daño. También participa en la regulación de la transcripción acoplada a la vitamina D mediante su asociación con el complejo WINAC, un complejo de remodelación de la cromatina reclutado por el receptor de vitamina D (VDR), necesario para la transrepresión del gen CYP27B1 mediada por el VDR unido a ligando. Similitud: Pertenece a la familia de la actina. Subunidad: Componente de numerosos complejos con actividad de remodelación de la cromatina y acetiltransferasa de histonas. Componente del complejo de histona acetiltransferasa NuA4, que contiene la subunidad catalítica HTATIP/TIP60 y las subunidades EP400, TRRAP/PAF400, BRD8/SMAP, EPC1, DMAP1/DNMAP1, RUVBL1/TIP49, RUVBL2, ING3, actina, ACTL6A/BAF53A, MORF4L1/MRG15, MORF4L2/MRGX, MRGBP, YEATS4/GAS41, VPS72/YL1 y EAF6. El complejo NuA4 interactúa con MYC y la proteína E1A del adenovirus. Componente de un complejo relacionado con NuA4 que contiene EP400, TRRAP/PAF400, SRCAP, BRD8/SMAP, EPC1, DMAP1/DNMAP1, RUVBL1/TIP49, RUVBL2, actina, ACTL6A/BAF53A, VPS72 y YEATS4/GAS41. Componente del complejo BAF, que incluye al menos actina (ACTB), ARID1A, ARID1B/BAF250, SMARCA2, SMARCA4/BRG1, ACTL6A/BAF53, ACTL6B/BAF53B, SMARCE1/BAF57, SMARCC1/BAF155, SMARCC2/BAF170, SMARCB1/SNF5/INI1 y uno o más de los siguientes: SMARCD1/BAF60A, SMARCD2/BAF60B o SMARCD3/BAF60C. En las células musculares, el complejo BAF también contiene DPF3. Componente del complejo BAF53, compuesto al menos por ACTL6A/BAF53A, RUVBL1/TIP49, SMARCA2/BRM y TRRAP/PAF400, y que también puede incluir una actividad HAT relacionada con la de HTATIP, pero distinta de esta. ACTL6A interactúa con SMARCA4/BRG1. Componente del complejo INO80 de remodelación de la cromatina, compuesto al menos por ACTL6A, ACTR5, ACTR8, RVBL1, RVBL2, INO80, INO80B, INO80C, INO80D e INO80E. Componente del complejo WINAC, compuesto al menos por SMARCA2, SMARCA4,

SMARCB1, SMARCC1, SMARCC2, SMARCD1, SMARCE1, ACTL6A, BAZ1B/WSTF, ARID1A, SUPT16H, CHAF1A y TOP2B.

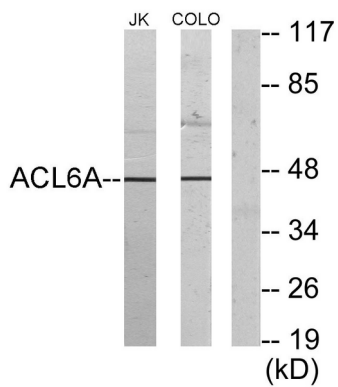
Área de Investigación

Transducción de señales

Datos de Imagen



Análisis de inmunofluorescencia de células HUVEC con el anticuerpo ACTL6A. La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat y COLO205, utilizando el anticuerpo ACTL6A. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.