

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ATP5I**Nº de Catálogo: APRab07335**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	8kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ATP5I
Nombres Alternativos	ATP5I; ATP5K; ATP synthase subunit e; mitochondrial; ATPase subunit e
ID del Gen	521.0
ID SwissProt	P56385
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del ATP5I humano. Rango de AA: 20-69.

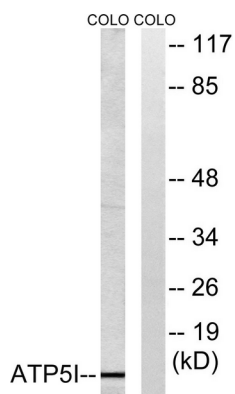
Antecedentes

La ATP sintasa mitocondrial cataliza la síntesis de ATP, utilizando un gradiente electroquímico de protones a través de la membrana interna durante la fosforilación oxidativa. Está compuesta por dos complejos multisubunitarios enlazados: el núcleo catalítico soluble, F1, y el componente transmembrana, Fo, que comprende el canal de protones. El complejo F1 consta de cinco subunidades diferentes (alfa, beta, gamma, delta y épsilon) ensambladas en una proporción de 3 alfa, 3 beta y una única subunidad representativa de las otras tres. Fo parece tener nueve subunidades (a, b, c, d, e, f, g, F6 y 8). Este gen codifica la subunidad e del complejo Fo. El empalme alternativo da lugar a múltiples variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, junio de 2010] Función: La ATP sintasa de membrana mitocondrial (F(1)F(0) ATP sintasa o Complejo V) produce ATP a partir de ADP en presencia de un gradiente de protones a través de la membrana, generado por los complejos de transporte de electrones de la cadena respiratoria. Las ATPasas de tipo F constan de dos dominios estructurales: F(1), que contiene el núcleo catalítico extramembranoso, y F(0), que contiene el canal de protones de membrana, unidos por un tallo central y uno periférico. Durante la catálisis, la síntesis de ATP en el dominio catalítico de F(1) se acopla mediante un mecanismo rotatorio de las subunidades del tallo central a la translocación de protones. Forma parte del dominio complejo F(0). Subunidad menor ubicada con la subunidad a en la membrana. Similitud: Pertenece a la familia de subunidades e de las ATPasas. Subunidad: Las ATPasas de tipo F tienen dos componentes: CF(1) (el núcleo catalítico) y CF(0) (el canal de protones de membrana). La CF(0) parece tener nueve subunidades: a, b, c, d, e, f, g, F6 y 8 (o A6L).

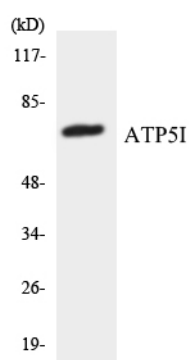
Área de Investigación

Fosforilación oxidativa;

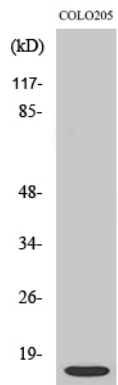
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células COLO, utilizando el anticuerpo ATP5I. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de 293 células utilizando el anticuerpo ATP5I.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal ATP5I