

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ATP5H**Nº de Catálogo: APRab07334**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	26kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ATP5H
Nombres Alternativos	ATP5H; My032; ATP synthase subunit d; mitochondrial; ATPase subunit d
ID del Gen	10476.0
ID SwissProt	O75947
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la ATP5H humana. Rango de AA: 111-160.

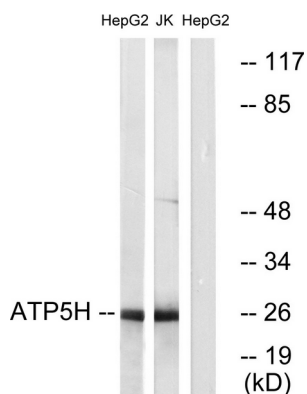
Antecedentes

La ATP sintasa mitocondrial cataliza la síntesis de ATP, utilizando un gradiente electroquímico de protones a través de la membrana interna durante la fosforilación oxidativa. Está compuesta por dos complejos multisubunitarios enlazados: el núcleo catalítico soluble, F1, y el componente transmembrana, Fo, que comprende el canal de protones. El complejo F1 consta de cinco subunidades diferentes (alfa, beta, gamma, delta y épsilon) ensambladas en una proporción de 3 alfa, 3 beta y una única subunidad representativa de las otras tres. Fo parece tener nueve subunidades (a, b, c, d, e, f, g, F6 y 8). Este gen codifica la subunidad d del complejo Fo. Se han identificado variantes de transcripción empalmadas alternativamente que codifican diferentes isoformas para este gen. Además, tres pseudogenes se encuentran en los cromosomas 9, 12 y 15. [Proporcionado por RefSeq, junio de 2010], función: La ATP sintasa de membrana mitocondrial (F(1)F(0) ATP sintasa o Complejo V) produce ATP a partir de ADP en presencia de un gradiente de protones a través de la membrana, generado por complejos de transporte de electrones de la cadena respiratoria. Las ATPasas de tipo F constan de dos dominios estructurales: F(1), que contiene el núcleo catalítico extramembranoso, y F(0), que contiene el canal de protones de membrana, unidos por un tallo central y uno periférico. Durante la catálisis, la síntesis de ATP en el dominio catalítico de F(1) está acoplada a la translocación de protones mediante un mecanismo rotatorio de las subunidades del tallo central. Parte del dominio complejo F(0) y del tallo periférico, que actúa como estator para mantener el subcomplejo catalítico alfa(3)beta(3) y la subunidad a/ATP6 estáticos con respecto a los elementos rotatorios. Similitud: Pertenece a la familia de subunidades d de las ATPasas. Subunidad: Las ATPasas de tipo F tienen dos componentes: CF(1) (el núcleo catalítico) y CF(0) (el canal de protones de membrana). CF(0) parece tener nueve subunidades: a, b, c, d, e, f, g, F6 y 8 (o A6L).

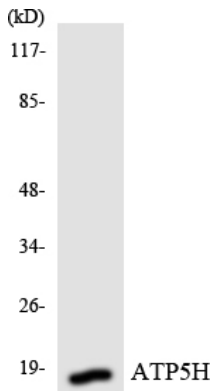
Área de Investigación

Fosforilación oxidativa; Enfermedad de Alzheimer; Enfermedad de Parkinson; Enfermedad de Huntington;

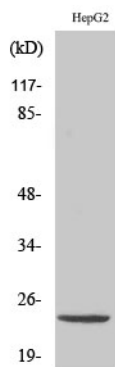
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células HepG2 y Jurkat, utilizando el anticuerpo ATP5H. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HepG2 utilizando el anticuerpo ATP5H.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal ATP5H diluido a 1:2000