

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ATP5F1**Nº de Catálogo: APRab07328**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
Peso Molecular	28kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ATP5F1
Nombres Alternativos	ATP5F1; ATP synthase subunit b; mitochondrial; ATPase subunit b
ID del Gen	515.0
ID SwissProt	P24539
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de ATP5F1. en el rango de AA: 130-210

Antecedentes

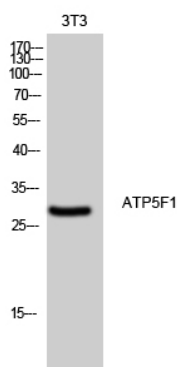
Este gen codifica una subunidad de la ATP sintasa mitocondrial. La ATP sintasa mitocondrial cataliza la síntesis de ATP mediante

un gradiente electroquímico de protones a través de la membrana interna durante la fosforilación oxidativa. La ATP sintasa está compuesta por dos complejos multisubunitarios enlazados: el núcleo catalítico soluble, F1, y el componente transmembrana, Fo, que comprende el canal de protones. La porción catalítica de la ATP sintasa mitocondrial consta de cinco subunidades diferentes (alfa, beta, gamma, delta y épsilon) ensambladas con una estequiometría de tres alfa, tres beta y una única subunidad representativa de las otras tres. El canal de protones parece tener nueve subunidades (a, b, c, d, e, f, g, F6 y 8). Este gen codifica la subunidad b del canal de protones. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], función: La ATP sintasa de membrana mitocondrial (F(1)F(0) ATP sintasa o Complejo V) produce ATP a partir de ADP en presencia de un gradiente de protones a través de la membrana, generado por complejos de transporte de electrones de la cadena respiratoria. Las ATPasas de tipo F constan de dos dominios estructurales: F(1), que contiene el núcleo catalítico extramembranoso, y F(0), que contiene el canal de protones de membrana, unidos por un tallo central y uno periférico. Durante la catálisis, la síntesis de ATP en el dominio catalítico de F(1) se acopla a la translocación de protones mediante un mecanismo rotatorio de las subunidades del tallo central. Parte del dominio complejo F(0) y del tallo periférico, que actúa como estator para mantener el subcomplejo catalítico alfa(3)beta(3) y la subunidad a/ATP6 estáticos con respecto a los elementos rotatorios. Similitud: Pertenece a la familia de cadenas B de las ATPasas eucariotas. Subunidad: Las ATPasas de tipo F tienen dos componentes: CF(1) (el núcleo catalítico) y CF(0) (el canal de protones de membrana). CF(1) tiene cinco subunidades: alfa(3), beta(3), gamma(1), delta(1) y épsilon(1). CF(0) tiene tres subunidades principales: a, b y c.

Área de Investigación

Fosforilación oxidativa; Enfermedad de Alzheimer; Enfermedad de Parkinson; Enfermedad de Huntington;

Datos de Imagen



Análisis Western Blot de células 3T3 utilizando el anticuerpo policlonal ATP5F1 diluido a 1:500