

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ApoER2**Nº de Catálogo: APRab07039**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	100kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	LRP8
Nombres Alternativos	LRP8; APOER2; Low-density lipoprotein receptor-related protein 8; LRP-8; Apolipoprotein E receptor 2
ID del Gen	55911.0
ID SwissProt	Q14114
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del LRP8 humano. Rango de AA: 451-500.

Antecedentes

Este gen codifica un miembro de la familia de receptores de lipoproteínas de baja densidad (LDLR). Los receptores de lipoproteínas de baja densidad son proteínas de la superficie celular que participan tanto en la transducción de señales como en la endocitosis mediada por receptores de ligandos específicos para la degradación lisosomal. La proteína codificada desempeña un papel crucial en la migración neuronal durante el desarrollo al mediar la señalización de la reelina, y también funciona como receptor de la proteína transportadora de colesterol, la apolipoproteína E. La expresión de este gen podría ser un marcador del trastorno depresivo mayor. Se han observado variantes de transcripción con empalme alternativo que codifican múltiples isoformas para este gen. [Proporcionado por RefSeq, junio de 2011], productos alternativos: Parecen existir isoformas adicionales. No se observaron diferencias en el empalme de patrones entre cerebros de control y con Alzheimer.

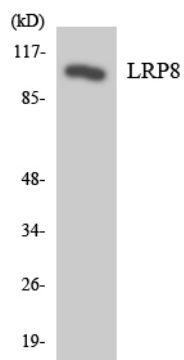
enfermedad: La variación genética en LRP8 se asocia con la susceptibilidad al infarto de miocardio tipo 1 [MIM:608446]. La enfermedad coronaria aterosclerótica (EAC) y el infarto de miocardio (IM) son características complejas que representan la principal causa de muerte por cardiopatía en el mundo occidental. Dominio: El dominio citoplasmático participa en la unión de DAB1 y en el reclutamiento de proteínas que interactúan con JNK. Las isoformas que carecen de parte del dominio citoplasmático no pueden reclutar miembros de la familia de proteínas que interactúan con JNK (JIP) a la cola citoplasmática. Función: Receptor de superficie celular para reelina (RELN) y ligandos que contienen apolipoproteína E (apoE). LRP8 participa en la transmisión de la señal extracelular de reelina a los procesos de señalización intracelular, uniéndose a DAB1 en su cola citoplasmática. La reelina actúa a través del receptor de VLDL (VLDLR) y LRP8 para regular la fosforilación de tirosina de DAB1 y la función de los microtúbulos en las neuronas. LRP8 tiene mayor afinidad por la reelina que por VLDLR. Por lo tanto, LRP8 es un componente clave de la vía de la reelina, que regula la estratificación neuronal del prosencéfalo durante el desarrollo embrionario. Se une a la proteína asociada al receptor residente del retículo endoplasmático (RAP). Se une a los dímeros de la beta 2-glicoproteína I y podría estar implicada en la supresión de la agregación plaquetaria en la vasculatura. Presenta una alta expresión en el segmento inicial del epidídimo, donde afecta la expresión funcional de la clusterina y la fosfolípido hidroperóxido glutatión peroxidasa (PHGPx), dos proteínas necesarias para la maduración espermática. También podría funcionar como receptor endocítico. Información adicional: Las isoformas naturales de la apoE (E2, E3, E4) tienen afinidades similares por LRP8. PTM: O-glicosilada. Algunas isoformas con empalme alternativo carecen del dominio de azúcar O-enlazado. PTM: Tirosina fosforilada tras la unión a apoE. PTM: Sufre un procesamiento proteolítico secuencial, dependiente de furina y gamma-secretasa, que resulta en la liberación extracelular de todo el dominio de unión al ligando como un polipéptido soluble y en la liberación del dominio intracelular (ICD) al citoplasma. El procesamiento proteolítico dependiente de gamma-secretasa ocurre después de que la mayor parte del dominio extracelular se haya desprendido, de manera dependiente de furina, en isoformas con empalme alternativo que portan el sitio de escisión de furina. La hipoglicosilación (principalmente hipo-O-glucosilación) conduce a un aumento de la escisión extracelular, lo que a su vez resulta en una liberación acelerada del dominio intracelular (ICD) por la gamma-secretasa. El fragmento de receptor resultante es capaz de inhibir la señalización de reelina y, en particular, la fosforilación de DAB1 inducida por reelina. Similitud: Pertenece a la familia LDLR. Similitud: Contiene dos dominios similares a EGF. Similitud: Contiene cinco repeticiones del receptor de LDL de clase B. Similitud: Contiene siete dominios del receptor de LDL de clase A. Ubicación subcelular: Las isoformas que contienen el exón que codifica un sitio de escisión de tipo furina se procesan proteolíticamente, lo que da lugar a un fragmento de receptor secretado. Subunidad: La reelina se asocia con dos o más moléculas receptoras. Interactúa con DAB1 y proteínas que interactúan con JNK. Interactúa con

SNX17. Especificidad tisular: Se expresa principalmente en el cerebro y la placenta. También se expresa en plaquetas y células megacariocíticas. No se expresa en el hígado.

Área de Investigación

Neurociencia

Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de los lisados de células HeLa utilizando el anticuerpo LRP8.