

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo AK6**Nº de Catálogo: APRab06716**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:200-1:1000,ELISA 1:10000-1:20000
Peso Molecular	20kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	-
Nombres Alternativos	TAF9; AK6; CINAP; AD-004; CGI-137; Adenylate kinase isoenzyme 6; ATP-AMP transphosphorylase 6; Coilin-interacting nuclear ATPase protein; hCINAP
ID del Gen	6880.0
ID SwissProt	Q9Y3D8
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del KAD6 humano. Rango de AA: 11-60.

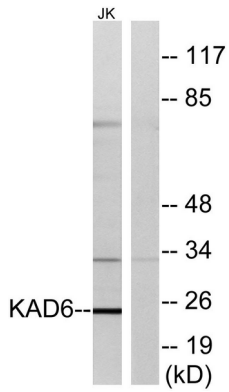
Antecedentes

Adenilato quinasa 6 (AK6) Homo sapiens. Este gen codifica una proteína perteneciente a la familia de enzimas adenilato quinasas. La proteína tiene localización nuclear y contiene motivos Walker A (bucle P) y Walker B, así como un residuo de coordinación de metales. La proteína podría participar en la regulación de la formación de cuerpos de Cajal. En humanos, AK6 y TAF9 (GeneID: 6880) son dos genes distintos que comparten exones 5'. El empalme alternativo produce múltiples variantes de transcripción. [proporcionado por RefSeq, sep. de 2013], regulación del crecimiento celular, organización de la cromatina, transcripción, transcripción dependiente del ADN, inicio de la transcripción, elongación del ARN, regulación de la transcripción dependiente del ADN, regulación de la transcripción a partir del promotor de la ARN polimerasa II, transcripción a partir del promotor de la ARN polimerasa II, inicio de la transcripción a partir del promotor de la ARN polimerasa II, elongación del ARN a partir del promotor de la ARN polimerasa II, ensamblaje de complejos proteicos, acetilación de aminoácidos proteicos, regulación del tamaño celular, regulación positiva del proceso biosintético, regulación del proceso catabólico, regulación negativa del proceso catabólico, respuesta a sustancias orgánicas, regulación de la transcripción específica a partir del promotor de la ARN polimerasa II, regulación positiva de la transcripción específica a partir del promotor de la ARN polimerasa II, regulación positiva del proceso biosintético de macromoléculas, regulación positiva del proceso metabólico de macromoléculas, regulación negativa del proceso metabólico de macromoléculas, regulación positiva de la expresión génica, regulación de la muerte celular, cromatina Modificación, modificación covalente de la cromatina, modificación de histonas, acetilación de histonas, regulación de la proteólisis, regulación positiva del crecimiento celular, regulación positiva del proceso biosintético celular, regulación del proceso catabólico celular, regulación negativa del proceso catabólico celular, regulación del proceso metabólico proteico celular, regulación negativa del proceso metabólico proteico celular, regulación del proceso catabólico proteico dependiente de ubiquitina proteasomal, regulación negativa del proceso catabólico proteico dependiente de ubiquitina proteasomal, regulación del tamaño del componente celular, regulación de la transcripción génica específica, proceso biosintético de ARN, respuesta al estímulo de citocinas, respuesta celular al estímulo de daño del ADN, regulación del crecimiento, regulación del proceso catabólico proteico, regulación negativa del proceso catabólico proteico, regulación de la apoptosis, regulación negativa de la apoptosis, regulación de la muerte celular programada, regulación negativa de la muerte celular programada, regulación positiva de la transcripción génica específica, acilación de aminoácidos proteicos, organización de subunidades de complejos macromoleculares, histona H3 acetilación, regulación de la transcripción, regulación positiva del tamaño celular, regulación negativa de la proteólisis, regulación positiva de la transcripción, dependiente del ADN, regulación positiva del crecimiento, regulación positiva del proceso metabólico de nucleobases, nucleósidos, nucleótidos y ácidos nucleicos, regulación positiva de la transcripción, regulación positiva de la transcripción del promotor de la ARN polimerasa II, regulación positiva de la respuesta al estímulo, regulación positiva del proceso metabólico de compuestos nitrogenados, regulación negativa del proceso metabólico de proteínas, regulación del proceso metabólico del ARN, regulación positiva del proceso metabólico del ARN, organización cromosómica, regulación negativa de la muerte celular, regulación de la respuesta al estímulo de citocinas, regulación positiva de la respuesta al estímulo de citocinas, ensamblaje de complejos macromoleculares, biogénesis de complejos proteicos, respuesta a la interleucina-1,

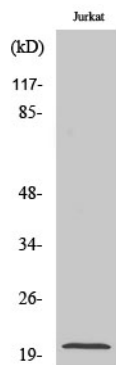
Área de Investigación

Factores de transcripción basales;

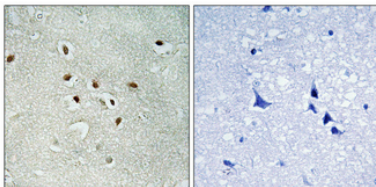
Datos de Imagen



Análisis de inmunotransferencia de lisados de células Jurkat con el anticuerpo KAD6. El carril derecho está bloqueado con el péptido sintetizado.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal AK6



Análisis inmunohistoquímico de cerebro humano incluido en parafina. El anticuerpo se diluyó a 1:100 (4°C, durante la noche). Se utilizó Tris-EDTA a alta presión y temperatura, pH 8,0, para la recuperación del antígeno. El control negativo (derecha) obtenido del anticuerpo fue preabsorbido por el péptido inmunógeno.