

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ADAMTS-7**Nº de Catálogo: APRab06602**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	IHC, ICC/IF, ELISA
Reactividad	Humano, Rata, Ratón
Conjugación	No conjugado
Modificación	Sin modificar
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	IHC 1:100-1:300, ICC/IF 1:50-1:200, ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	-

Información del Antígeno

Nombre del Gen	ADAMTS7
Nombres Alternativos	ADAMTS7; A disintegrin and metalloproteinase with thrombospondin motifs 7; ADAM-TS 7; ADAM-TS7; ADAMTS-7; COMPase
ID del Gen	11173.0
ID SwissProt	Q9UKP4
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de ADAMTS-7. en el rango de AA: 150-230

Antecedentes

La proteína codificada por este gen pertenece a la familia ADAMTS (una desintegrina y metaloproteínasa con motivos de trombospondina). Los miembros de esta familia comparten varios módulos proteicos distintivos, entre ellos una región propéptido, un dominio de metaloproteínasa, un dominio similar a la desintegrina y un motivo de trombospondina tipo 1 (TS). Los miembros individuales de esta familia difieren en el número de motivos TS C-terminales, y algunos presentan dominios C-terminales únicos. La preproteína codificada se procesa proteolíticamente para generar la enzima madura. Esta enzima contiene dos motivos TS C-terminales y puede regular la migración de las células musculares lisas vasculares (CMLV). Las mutaciones en este gen pueden estar asociadas con la susceptibilidad a la enfermedad arterial coronaria. [Proporcionado por RefSeq, feb. de 2016], cofactor: Se une a un ion zinc por subunidad., dominio: La cisteína conservada presente en el motivo de cambio de cisteína se une al ion zinc catalítico, inhibiendo así la enzima. La disociación de la cisteína del ion zinc tras la liberación del péptido de activación activa la enzima., dominio: El dominio espaciador y los dominios TSP tipo 1 son importantes para una interacción estrecha con la matriz extracelular., función: Metaloproteasa que puede participar en la degradación de COMP., inducción: Regulada positivamente en el cartílago articular y la membrana sinovial de pacientes con artritis., PTM: Puede ser escindido por una furina endopeptidasa (por similitud). El precursor se procesa secuencialmente., PTM: N-glicosilado., PTM: Proteoglicano O-glicosilado. Contiene sulfato de condroitina. Similitud: Contiene 1 dominio de desintegrina. Similitud: Contiene 1 dominio de peptidasa M12B. Similitud: Contiene 1 dominio PLAC. Similitud: Contiene 8 dominios TSP tipo 1. Ubicación subcelular: También se encuentra asociado con la superficie celular externa. Subunidad: Interactúa con COMP. Especificidad tisular: Se expresa en corazón, cerebro, placenta, pulmón, hígado, músculo esquelético, riñón y páncreas. Se detecta en meniscos, huesos, tendones, cartílagos, membrana sinovial, grasa y ligamentos.

Área de Investigación

-

Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de amígdala humana incluida en parafina. 1. El anticuerpo se diluyó a 1:200 (4° durante la noche). 2. Se utilizó Tris-EDTA, pH 9,0 para la recuperación del antígeno. 3. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:200 (temperatura ambiente, 30 min).