

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo ACK****Nº de Catálogo: APRab06504**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Sin modificar
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:5000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	115kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	TNK2
<b>Nombres Alternativos</b>	TNK2; ACK1; Activated CDC42 kinase 1; ACK-1; Tyrosine kinase non-receptor protein 2
<b>ID del Gen</b>	10188.0
<b>ID SwissProt</b>	Q07912
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del ACK1 humano. Rango de AA: 250-299.

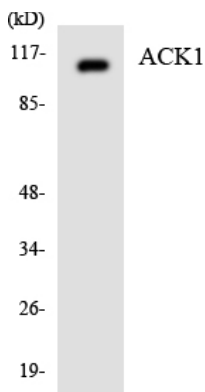
**Antecedentes**

Este gen codifica una tirosina quinasa que se une a Cdc42Hs en su forma unida a GTP e inhibe la actividad GTPasa intrínseca y la actividad GTPasa estimulada por la proteína activadora de GTPasa (GAP) de Cdc42Hs. Esta unión está mediada por una secuencia única de 47 aminoácidos en el extremo C-terminal de un dominio SH3. La proteína podría estar involucrada en un mecanismo regulador que sustenta la forma activa de Cdc42Hs unida a GTP y que está directamente relacionada con una vía de transducción de señales de fosforilación de tirosina. Se han identificado varias variantes de transcripción con empalme alternativo de este gen, pero solo se ha determinado la naturaleza completa de dos variantes de transcripción. [Proporcionado por RefSeq, jul. de 2008], actividad catalítica: ATP + a [proteína]-L-tirosina = ADP + a [proteína]-L-tirosina fosfato., cofactor: magnesio., regulación enzimática: el dominio SH3 parece desempeñar una función autoinhibitoria., función: efector dependiente de CDC42 que media la migración celular dependiente de CDC42 mediante la fosforilación de BCAR1. Se une a la poliubiquitina y la monoubiquitina y regula la degradación del EGFR inducida por ligando. Participa en la endocitosis mediada por clatrina. Podría estar involucrado tanto en la función y plasticidad sináptica adulta como en el desarrollo cerebral., precaución de secuencia: isoforma improbable. Sitios de empalme aberrantes., similitud: pertenece a la superfamilia de las proteína quinasa. Familia de la proteína quinasa Tyr. Similitud: Contiene un dominio CRIB. Similitud: Contiene un dominio de proteína quinasa. Similitud: Contiene un dominio SH3. Subunidad: Interactúa con CDC42. Interactúa con CSPG4 activado.

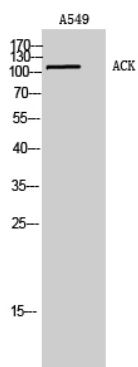
## Área de Investigación

-

## Datos de Imagen



Análisis de transferencia Western de los lisados de células COLO205 utilizando el anticuerpo ACK1.



Análisis de Western blot de células A549 con anticuerpo policlonal ACK. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.

