

**Nombre del Producto:** Anticuerpo policlonal de conejo TAL1/2 (acetil-lys221/acetil-lys222/acetil-lys36/acetil-lys37)

**Nº de Catálogo:** APRab06260

Solo para uso en investigación.

## Resumen

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Acetilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

## Aplicación

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,ELISA 1:5000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	45kDa

## Información del Antígeno

<b>Nombre del Gen</b>	TAL1/TAL2
<b>Nombres Alternativos</b>	TAL1; BHLHA17; SCL; TCL5; T-cell acute lymphocytic leukemia protein 1; TAL-1; Class A basic helix-loop-helix protein 17; bHLHa17; Stem cell protein; T-cell leukemia/lymphoma protein 5; TAL2; BHLHA19; T-cell acute lymphocytic leukemia protein 2; TAL-2; Class A basic helix-loop-helix protein 19; bHLHa19
<b>ID del Gen</b>	6886.0
<b>ID SwissProt</b>	P17542

## Inmunógeno

Acetil-péptido sintetizado derivado de TAL1/2 humano alrededor del sitio de acetilación de K221.

## Antecedentes

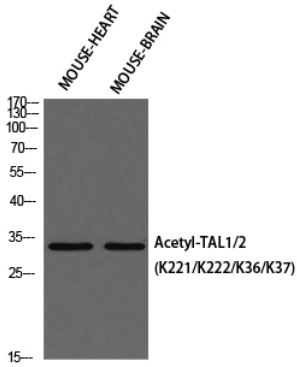
Productos alternativos: El patrón de empalme depende del linaje celular. Enfermedad: Una aberración cromosómica que afecta a TAL1 puede ser la causa de algunas leucemias linfoblásticas agudas de células T (LLA-T). Translocación t(1;14)(p32;q11) con genes de la cadena alfa del receptor de células T (TCRA). Dominio: El dominio hélice-bucle-hélice es necesario y suficiente para la interacción con DRG1. Función: Implicado en la génesis de neoplasias hematopoyéticas. Puede desempeñar un papel importante en la diferenciación hematopoyética. Actúa como regulador positivo de la diferenciación eritroide. PTM: Fosforilado en residuos de serina. La fosforilación de Ser-122 se ve fuertemente estimulada por la hipoxia. PTM: Ubiquitinado; tras la fosforilación de Ser-122 dependiente de la hipoxia, la ubiquitinación dirige la proteína a una rápida degradación a través del sistema de la ubiquitina. Este proceso puede ser característico de las células endoteliales microvasculares, ya que no se observó en las células endoteliales de grandes vasos. Similitud: Contiene un dominio básico de hélice-bucle-hélice (bHLH). Subunidad: La unión eficiente al ADN requiere dimerización con otra proteína bHLH. Forma heterodímeros con TCF3. Se une al dominio LIM que contiene la proteína LMO2 y a DRG1. Puede ensamblarse en un complejo con LDB1 y LMO2. Componente de un complejo TAL-1 compuesto al menos por CBFA2T3, LDB1, TAL1 y TCF3. Especificidad tisular: Célula madre leucémica.

Productos alternativos: El patrón de empalme depende del linaje celular. Enfermedad: Una aberración cromosómica que afecta a TAL1 puede ser la causa de algunas leucemias linfoblásticas agudas de células T (LLA-T). Translocación t(1;14)(p32;q11) con genes de la cadena alfa del receptor de linfocitos T (TCRA). Dominio: El dominio hélice-bucle-hélice es necesario y suficiente para la interacción con DRG1. Función: Implicado en la génesis de neoplasias hematopoyéticas. Puede desempeñar un papel importante en la diferenciación hematopoyética. Actúa como regulador positivo de la diferenciación eritroide. PTM: Fosforilado en residuos de serina. La fosforilación de Ser-122 se ve fuertemente estimulada por la hipoxia. PTM: Ubiquitinado; tras la fosforilación de Ser-122 dependiente de la hipoxia, la ubiquitinación dirige la proteína a su rápida degradación a través del sistema de la ubiquitina. Este proceso puede ser característico de las células endoteliales microvasculares, ya que no se observó en las células endoteliales de grandes vasos. Similitud: Contiene un dominio básico de hélice-bucle-hélice (bHLH). Subunidad: La unión eficiente al ADN requiere dimerización con otra proteína bHLH. Forma heterodímeros con TCF3. Se une al dominio LIM que contiene la proteína LMO2 y a DRG1. Puede ensamblarse en un complejo con LDB1 y LMO2. Componente de un complejo TAL-1 compuesto al menos por CBFA2T3, LDB1, TAL1 y TCF3. Especificidad tisular: Célula madre leucémica.

## Área de Investigación

-

## Datos de Imagen



Análisis de Western blot de corazón de ratón y cerebro de ratón con el anticuerpo acetil-TAL1/2 (K221/K222/K36/K37). El anticuerpo se diluyó a 1:500. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.