

**Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo CBP (acetil Lys1535)****Nº de Catálogo: APRab06176**

Solo para uso en investigación.

**Resumen**

<b>Descripción</b>	Anticuerpo policlonal de conejo
<b>Huésped</b>	Conejo
<b>Aplicación</b>	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
<b>Reactividad</b>	Humano, Ratón, Rata
<b>Conjugación</b>	No conjugado
<b>Modificación</b>	Acetilado
<b>Isotipo</b>	IgG
<b>Clonalidad</b>	Policlonal
<b>Formato</b>	Líquido
<b>Concentración</b>	1 mg/ml
<b>Almacenamiento</b>	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
<b>Envío</b>	Bolsas de hielo
<b>Tampon</b>	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
<b>Purificación</b>	Purificación por afinidad

**Aplicación**

<b>Relación de Dilución</b>	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:10000-1:20000
<b>Peso Molecular</b>	265kDa

**Información del Antígeno**

<b>Nombre del Gen</b>	CREBBP
<b>Nombres Alternativos</b>	CREBBP; CBP; CREB-binding protein
<b>ID del Gen</b>	1387.0
<b>ID SwissProt</b>	Q92793
<b>Inmunógeno</b>	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado de la CBP humana alrededor del sitio acetilado de Lys1535. Rango de AA: 1501-1550.

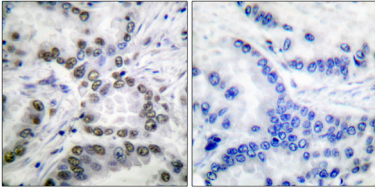
**Antecedentes**

Este gen se expresa de forma ubicua y participa en la coactivación transcripcional de numerosos factores de transcripción. Aislado inicialmente como proteína nuclear que se une a la proteína de unión al elemento de respuesta a AMPc (CREB), ahora se sabe que este gen desempeña funciones cruciales en el desarrollo embrionario, el control del crecimiento y la homeostasis, al acoplar la remodelación de la cromatina al reconocimiento de factores de transcripción. La proteína codificada por este gen posee actividad intrínseca de histona acetiltransferasa y también actúa como andamio para estabilizar interacciones proteicas adicionales con el complejo de transcripción. Esta proteína acetila tanto proteínas histonas como no histonas. Esta proteína comparte regiones de secuencia muy similar con la proteína p300 en su bromodominio, regiones ricas en cisteína-histidina y el dominio de histona acetiltransferasa. Las mutaciones en este gen causan el síndrome de Rubinstein-Taybi (SRT). Las translocaciones cromosómicas inducen actividad catalítica: Acetil-CoA + histona = CoA + acetilhistona. Enfermedad: Las aberraciones cromosómicas que involucran CREBBP pueden ser causa de leucemias mieloides agudas. Translocación t(8;16) (p11;p13) con MYST3/MOZ; translocación t(11;16)(q23;p13.3) con MLL/HRX; translocación t(10;16)(q22;p13) con MYST4/MORF. MYST3-CREBBP puede inducir leucemia al inhibir la transcripción mediada por RUNX1. Enfermedad: Los defectos en CREBBP son causa del síndrome de Rubinstein-Taybi (RSTS) [MIM:180849]. El RSTS es un trastorno autosómico dominante que se caracteriza por anomalías craneofaciales, pulgares y dedos gordos anchos, retraso mental y propensión al desarrollo de neoplasias malignas. Dominio: El dominio KIX media la unión a la proteína Tat del VIH-1. Función: Acetila histonas, lo que proporciona una etiqueta específica para la activación transcripcional. También acetila proteínas no histonas, como el coactivador NCOA3. Se une específicamente a CREB fosforilado y potencia su actividad transcripcional hacia genes sensibles a AMPc. Información en línea: Entrada P300/CBP. PTM: La metilación del dominio KIX por CARM1 bloquea la asociación con CREB. Esto resulta en el bloqueo de la señalización de CREB y en la activación de la respuesta apoptótica., PTM: Fosforilado tras daño del ADN, probablemente por ATM o ATR., PTM: La sumoilación regula negativamente la actividad transcripcional mediante el reclutamiento de DAAX., similitud: Contiene 1 dominio bromo., similitud: Contiene 1 dominio KIX., similitud: Contiene 1 dedo de zinc tipo ZZ., similitud: Contiene 2 dedos de zinc tipo TAZ., subunidad: Se encuentra en un complejo que contiene NCOA2; NCOA3; IKKA; IKKB e IKBKG. Probablemente forma parte de un complejo con HIF1A y EP300. Interactúa con CREB1 fosforilado. Interactúa con la región C-terminal de CITED4. El dominio TAZ tipo 1 interactúa con HIF1A. Interactúa con MAF, SRCAP, CARM1, ELF3, MLLT7/FOXO4, N4BP2, NCOA1, NCOA3, NCOA6, PCAF, PELP1, PML, SMAD1, SMAD2, SMAD3, SPIB y TRERF1. Interactúa con HTLV-1 Tax y p30II. Interactúa con HIV-1 Tat. Interactúa con KLF1; la interacción resulta en la acetilación de KLF1 y la mejora de su actividad transcripcional. Interactúa con ZCCHC12 (por similitud). Interactúa con DAXX; la interacción depende de la sumoilación de CBP y resulta en la supresión de la actividad transcripcional a través del reclutamiento de HDAC2 a DAAX (por similitud). Interactúa con MTDH. Interactúa con NFATC4. Interactúa con MAFG; la interacción acetila MAFG en la región básica y estimula la actividad transcripcional de NFE2 al aumentar su actividad de unión al ADN. Interactúa con IRF2; la interacción acetila IRF2 y regula su actividad en el promotor H4.

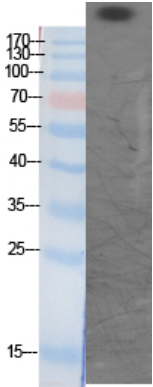
## Área de Investigación

Regula la angiogénesis; acetilación de proteínas

## Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de tejido de carcinoma pulmonar humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo CBP (acetil-Lys1535). La imagen de la derecha muestra el péptido sintetizado.



Análisis de Western Blot de diversas células con anticuerpo policlonal acetil-CBP (K1535) diluido a 1:1000. El anticuerpo secundario se diluyó a 1:20000.