

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo NFAT2 (Phospho-Ser172)**Nº de Catálogo: APRab05820**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000
Peso Molecular	104kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	NFATC1
Nombres Alternativos	Nuclear factor of activated T-cells, cytoplasmic 1 (NF-ATc1) (NFATc1) (NFAT transcription complex cytosolic component) (NF-ATc) (NFATc)
ID del Gen	4772.0
ID SwissProt	O95644
Inmunógeno	Péptido sintetizado derivado de NFAT2 humano (Phospho-Ser172)

Antecedentes

Productos alternativos: La isoforma C-alfa y la isoforma C-beta son los activadores más potentes de la transcripción génica, seguidas de la isoforma A-alfa y la isoforma A-beta, mientras que la isoforma B-alfa y la isoforma B-beta son las más débiles. La isoforma B-alfa, la isoforma B-beta, la isoforma C-alfa y la isoforma C-beta, ambas presentes en los linfocitos T, pueden modular su actividad transcripcional. **Dominio:** La isoforma C presenta una porción C-terminal con un dominio de transactivación adicional, TAD-B, que actúa como activador transcripcional. La isoforma B presenta una porción C-terminal más corta sin TAD-B completo, que actúa como represor transcripcional. **Dominio:** El dominio de similitud Rel (RSD) permite la unión al ADN y las interacciones cooperativas con los factores AP1. **Dominio:** El dominio de transactivación N-terminal (TAD-A) se une a Cbp/p300 y es activado por este. La forma desfosforilada contiene dos señales de localización nuclear (NLS) no enmascaradas, que permiten la translocación de la proteína al núcleo. **Función:** Participa en la expresión inducible de genes de citocinas en linfocitos T, especialmente en la inducción de la transcripción génica de IL-2 o IL-4. También controla la expresión génica en células cardíacas embrionarias. Podría regular no solo la activación y proliferación, sino también la diferenciación y la muerte programada de los linfocitos T, así como de las células linfoides y no linfoides. **Inducción:** Solo las isoformas A se expresan de forma inducible en los linfocitos T tras la activación del complejo del receptor de linfocitos T (TCR). Se induce tras la coadición de forbol 12-miristato 13-acetato (PMA) e ionomicina. También se induce tras la coadición de 12-O-tetradecanoilforbol-13-acetato (TPA) e ionomicina. Inducción débil con PMA, ionomicina y ciclosporina A. **PTM:** Fosforilado por la quinasa NFATC; desfosforilado por la calcineurina. **Similitud:** Contiene un dominio RHD (similar a Rel). **Ubicación subcelular:** Citoplásmica para la forma fosforilada y nuclear tras la activación, que está controlada por la desfosforilación mediada por calcineurina. Se cree que la rápida salida nuclear de NFATC es un mecanismo por el cual las células distinguen entre señales de calcio sostenidas y transitorias. La localización subcelular de NFATC desempeña un papel clave en la regulación de la transcripción génica. **Subunidad:** Miembro del complejo de transcripción multicomponente NFATC, que consta de al menos dos componentes: un componente citoplasmático preexistente, NFATC2, y un componente nuclear inducible, NFATC1. Otros miembros, como NFATC4, NFATC3 o miembros de la familia de la proteína activadora 1, MAF, GATA4 y Cbp/p300, también pueden unirse al complejo. Las proteínas NFATC se unen al ADN como monómeros. **Especificidad tisular:** Se expresan en el timo, en leucocitos periféricos como linfocitos T y en el bazo. Las isoformas A se expresan preferentemente en linfocitos T efectores (timo y leucocitos periféricos), mientras que las isoformas B y C se expresan preferentemente en linfocitos T vírgenes (bazo). Las isoformas B se expresan en linfocitos T vírgenes tras la primera exposición al antígeno y las isoformas A en linfocitos T efectores tras la segunda exposición al antígeno.

Área de Investigación

Inmunología

Datos de Imagen

Análisis Western Blot de 293T con anticuerpo primario diluido 1:1000 a 4 °C durante la noche. El anticuerpo secundario se diluyó 1:10000 a 25 °C durante 1,5 horas.

