

Nombre del Producto: Anticuerpo policlonal de conejo Stat5 (fosfo Ser726/731)**Nº de Catálogo: APRab05484**

Solo para uso en investigación.

Resumen

Descripción	Anticuerpo policlonal de conejo
Huésped	Conejo
Aplicación	WB,IHC,ICC/IF,ELISA
Reactividad	Humano, Ratón, Rata
Conjugación	No conjugado
Modificación	Fosforilado
Isotipo	IgG
Clonalidad	Policlonal
Formato	Líquido
Concentración	1 mg/ml
Almacenamiento	Hacer alícuotas y almacenar a -20°C (válido por 12 meses). Evitar ciclos de congelación/descongelación.
Envío	Bolsas de hielo
Tampon	Líquido en PBS que contiene 50% de glicerol, 0,5% de proteína protectora y 0,02% de conservante de nuevo tipo N.
Purificación	Purificación por afinidad

Aplicación

Relación de Dilución	WB 1:500-1:2000,IHC 1:100-1:300,ICC/IF 1:50-1:200,ELISA 1:20000-1:40000
Peso Molecular	90kDa

Información del Antígeno

Nombre del Gen	STAT5A/STAT5B
Nombres Alternativos	STAT5A; STAT5; Signal transducer and activator of transcription 5A; STAT5B; Signal transducer and activator of transcription 5B
ID del Gen	6777.0
ID SwissProt	P42229/P51692
Inmunógeno	El antisuero se produjo contra el péptido sintetizado derivado del STAT5B humano alrededor del sitio de fosforilación de Ser731. Rango de AA: 697-746.

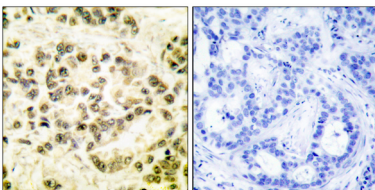
Antecedentes

La proteína codificada por este gen pertenece a la familia de factores de transcripción STAT. En respuesta a citocinas y factores de crecimiento, los miembros de la familia STAT son fosforilados por las quinasas asociadas al receptor y forman homodímeros o heterodímeros que se translocan al núcleo celular, donde actúan como activadores de la transcripción. Esta proteína es activada por, y media la respuesta de, muchos ligandos celulares, como IL2, IL3, IL7, GM-CSF, eritropoyetina, trombopoyetina y diferentes hormonas del crecimiento. La activación de esta proteína en el mieloma y el linfoma asociado con la fusión de los genes TEL/JAK2 es independiente del estímulo celular y se ha demostrado que es esencial para la tumorigénesis. Se ha descubierto que la contraparte murina de este gen induce la expresión de BCL2L1/BCL-X(L), lo que sugiere la función antiapoptótica de este gen en las células. Se han descrito variantes de transcripción con empalme alternativo. Función: Realiza una doble función: transducción de señales y activación de la transcripción. Se une al elemento GAS y activa la transcripción inducida por PRL. Información en línea: Entrada STAT5. PTM: Tirosina fosforilada en respuesta a IL-2, IL-3, IL-7, IL-15, GM-CSF, hormona del crecimiento, prolactina, eritropoyetina y trombopoyetina. La fosforilación de tirosina es necesaria para la unión al ADN y la dimerización. La fosforilación de serina también es necesaria para la máxima actividad transcripcional. Similitud: Pertenece a la familia de factores de transcripción STAT. Similitud: Contiene un dominio SH2. Ubicación subcelular: Se transloca al núcleo en respuesta a la fosforilación. Subunidad: Forma un homodímero o heterodímero con un miembro de la familia relacionado. Se une a NR3C1 (por similitud). Interactúa con NCOA1 y SOCS7.

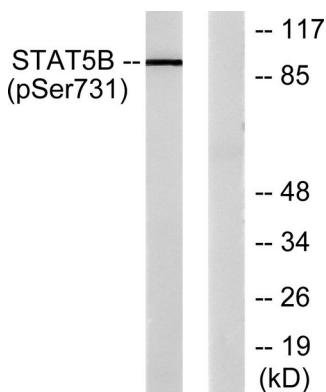
Área de Investigación

ErbB_HER;Jak_STAT;Vías en el cáncer;Leucemia mieloide crónica;Leucemia mieloide aguda;

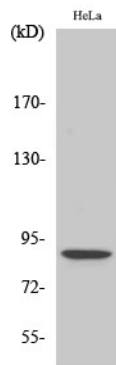
Datos de Imagen



Análisis inmunohistoquímico de carcinoma de mama humano incluido en parafina, utilizando el anticuerpo STAT5B (Phospho-Ser731). La imagen de la derecha está bloqueada con el péptido fosfo.



Análisis de Western blot de lisados de células RAW264.7 tratadas con EGF 200 ng/ml durante 30 minutos, utilizando el anticuerpo STAT5B (Phospho-Ser731). El carril derecho está bloqueado con el péptido fosfo.



Análisis Western Blot de varias células utilizando el anticuerpo policlonal Phospho-Stat5 (S726/731) diluido a 1:500